

Table S1. Primers used for RT-PCR to measure expression levels of analysed genes.

Name	sequence 5'-3'	Tm (°C)
<i>bHLH29_F</i>	CCGTGCGGTCGCTGAT	59
<i>bHLH29_R</i>	CGCGTCGTGTCAACTCTCA	58
<i>bHLH38_F</i>	CGGACACAGTTGGAGCTATGC	59
<i>bHLH38_R</i>	CTGGCTAGTGCCAACTGCAA	59
<i>bHLH47_F</i>	GCTACACTGTTTCGTCTTCCATCCT	60
<i>bHLH47_R</i>	TGGCGAGGTACCCAACACA	60
<i>WRKY33_F</i>	CCCACCGTTGTGCACTTGTA	59
<i>WRKY33_R</i>	GAGGAAGTACGGGCAGAAGGT	58
<i>ZIP4_F</i>	CAAGGCAACGTATGAGCACACT	59
<i>ZIP4_R</i>	TCCTGAGCCGGAGGATGAG	60
<i>ZTP29_F</i>	CACCGGGAAGTTTTGCAA	58
<i>ZTP29_R</i>	TGAGACACCGAAGAAGAGTCATCT	58
<i>YSL1_F</i>	CTTGTTGCTGGCACCCTAGTC	58
<i>YSL1_R</i>	CCGTCTTGAAGTCTTGCATCAA	59
<i>YSL2_F</i>	CACATAGAATGTCAGCGGTGAGA	59
<i>YSL2_R</i>	CAATGCTTATCGCCCAGATCA	60
<i>ZIF1_F</i>	GGAGCAGGCGTTCTGTTCTC	59
<i>ZIF1_R</i>	ATCATTTGATCCCCCTGGAAAGA	58
<i>ZIFL1_F</i>	TTCTCATGGGCGCAAAAAC	58
<i>ZIFL1_R</i>	AACCAGCATCAAGAATACCACTTG	58
<i>ZIFL2_F</i>	GCAGGAGCAGGTGTTCTGTTC	59
<i>ZIFL2_R</i>	TCATTGATCCCCCTGGAAAGA	58
<i>HMA5_F</i>	GCACCTTGAAGTACGCCTATT	59
<i>HMA5_R</i>	AATTACATATGCACACGAATCAATCA	58
<i>NAS2_F</i>	CTCCGCGTTGGCAAACCTC	59
<i>NAS2_R</i>	GTGCAGGTTTCGGCAAGATG	59
<i>NAS3_F</i>	TCATCTGTCTGTAAGTTCGTCATT	58
<i>NAS3_R</i>	GGCACAAACATCAGAACACACA	58
<i>NAS4_F</i>	TCAGCGGCACACATTTTCTC	58
<i>NAS4_R</i>	GGGCATCCATGTTATAGTTGCTT	58
<i>NAAT_F</i>	ATGGATTCCAGCGAGTCGAT	58
<i>NAAT_R</i>	GCTGGAGGTTTCGACATTTTCG	59
<i>NADH_F</i>	CCCCCTAGAGTAGCTGTTAATACGAA	60
<i>NADH_R</i>	GTTCAACTTTATGTATTCCTCTATCCGTAGA	60