

Table S6. SIHB8 binding sites analysis of the promoters of SICYP73A14 and SIPER3

3000bp promoter sequence of transcription start site of SIPER3

>SL2.50ch05:58100304..58103303

ACACTTATACTATACTAAGGTCCTATTACCCCCCTAAACTTATTTTATGTGTAATTTTCTACCC
CTTTTGTAGCCTACGTGGCACTAGTTCGAAAAAAAAGTCAACCATTGTTGGACCCACAAGAT
AGTGCCACGTAAGCTAAAAAGGGGTAAAAAATTATTAATAAAATAAGTTCAGGGGGGTAAAT
AGGACCTTAGTATAGTATAAGTGTGTCTCTGAGATTTCGGGCATAGGTTGAGGGGTACTTGG
GCATTATCCCTATATTAAATTTGATACTTTGAGAAATATATTAGATATCAAATAGTTATATTTAAT
TTCAAAGATAAAATAGAAAAAAAATTATGTCTAAGGTGAATAAGTTTATTGGATAACTATGGT
AATGCTGAACTGCCAGAAAATTTGGCTATACATTGAAAAATTCTATTATATCTTTTTAAATTTT
AAAATAAACTGATCTTTTTTCAACTTTTTGATTAAAAAGTAAAAATGTGCAAAAATAAATAC
AATAACATAGTGTTAAATATATTATCTAATCATTTTGATCAAATTCTAACTAAATTTTTTGACTA
ATTTCTTTTTCCATTTCTAATATAATAAAATAAATAAATAAAGATAAATAGAGTATAAAAAGTTCT
CCTTTATAAATATATACATAAAAAATATAATAGAAACATGAAGGTCCCCCTACCCTTGTATACAA
CAAGGAAAACAAATTCTGGGAACAGTAACCAAATTACTTAATTATGAGTATATGGTCAATGT
CTTATCTGCCAGCAATTGCTTGATACAACCTGTTAATAACTACTTCCTCCCTCTAACTCATTTT
TTCATTTTTTTTAAAATCAAATTGATAATCATTAATACTTAATTGAATCAGATCAATTCAACATT
TTAAAATTTTGATAATTAATACTATACTAAAAGTCCATATTAATACTATACTAAAAGTCCATA
AGTCCATGTTCAATTTTTTTTTTGA^{AAATTAAA}CAGTTTTTCCGCATTTTTTTATTAATAATCAAA
TCTCAATTATGACTCAAATCTAATGTATATCCTTACATTATCTAAGTGAAGTTAAAACATCCTT
ATATTATCCAAAATATAACAAGAATCAACCTTCAGTCTATTTTTGTAAAAAACTAATTGAAC
CAATAAAAATAAATTTGATCATGTGTTAGCAACAAAAGAGAAGATACAAGTACCTTCAAA
AAAAAAGTACCTTAAAAAATATGGATATGAATTGAAAATGATTATTTTATTGTCATAATTTA
ATTTTTTTGCGTTTTTAATTTATATGTTTTTTGCATCATCAAGTAAATTGACTTGCAACAATAC
ATAAGTTTTGAAATATTTATATATTAGATTACGATGATTAGAGAGATTATGTAAAAAAAATTA
TTTTAAAAATATTATGTTCAACTAATTAGAGACTTTCTTTAATAAAATATTTAGTATGTGTACTA
TATGTATATAATAAAATTCACATTTTATACAATGTAAAAAATACTGAAAATTTAGTGAAATTA
CGTAGGCATTTGGTTATGA^{AAATTAAA}AAAAATAAATTACTTTTGTTGAAAATTTTAAAGTT
GGAGCTGTATTTGGCTATACTTTTTACAAAGAATATTCAGAATTTGAATATATTTTGTCTTAAT
ATGATTTAACTTTCAATTTCTAAAAGTTGCACTTGACACATTTTTTTGATTGCTTGAGCTTT
TAAAAAAAATAGAGAGAAGGATTGCAACTTTTTGAATAATTTAAGGATATTTTTTTGTTCATT
ATGTAACACAAGGATGTACTTTAAATTTATGTCATACTTCAAGAATGATTTTAGCCAAAACT
CTAATTTGTACAATTTATATGAAACCTTAATCTAACTGTTTCAATTTTGAGAAAACGTCAAAC
AAGTAGCAAAGTAATAATGAATTGATGTGGACATATGTCAAAAGCATATTTGCATATGAGAAT
ATATGTGAGTTGTCCTGGCTCCTACATATAATTTCTGATACAACCTTGAGGAGCAGGTGAGTTT
TTCTATTTTTCAATTCCAATAATACCAACCATAAAAGCACAAAACAATTAACCTGATCAAGA
AAATGATAAAACACAAAGATTTTCGTTTATTTATGTGTGCGAAAAACAAATAAGTAATATATAT
ATATATATTTTTTTGGAGAGAGAGTTAAATATATATCTAAGAATTCACGTAAAACATCTAAATTC
AGGATTAATCATGTTACATATGTATATGGGGAAAAAATACAAGTCTTTTGTGTTGTTGGTAA
AATGGAAAAATAAAAAATTAATAAAAGTTCTTAAAGTGTCCATAAACAACCGGACTTAAATC
TACTAAAACAAATTTTATGTCATTTATTAAGTGCATTCATTGTAACAAAATTAACTTTTAGGG
GTAATAATATGCATATTAATAAAGAGTAAAAATTTATCGCATTAGTGTATCATTGGACGCAAT
ATCCTTATTAGCTTTAGAGATATTTACAAAACTGTTAATTACGTCTACAAAAATATACAGTG

ATAATTAAGTTGTTACCATTGACGACTTATTATCGCTAACGATCACAAGTAATTATAGAGTATT
AGAGACTCTTCATATTTGTAGCTATCATTTACTAGAAAATCGACACACTTCGGACCTGTTTGG
ATTGACTTTTGACTTGTGACTTATAAGCCACAAATCATAAATTAGAATTTTAACTTATGACT
TTTGACTTATTTTTTTTATTTTGGCTTTAAAATAATTGTTAATAAGCATTTTTAACTTATGCAA
ACATTTCAAAAGTCTTAAAAGTTATTTTAGCTTAAAAGCACTTAAAATAAGTCAATCCAAA
CGGACTTAATCGTAACCTTATTTAAAATGAAGGATACTAGTGGGAGTATTTATGCATGGAAG
AGGGAAGATGGCCAAACAAAATATGAATATTTATTACCGAAAGAGTACGACAGACTAACTAT
TTAATTAATCAATCAACCAAACAAACAA

3000bp promoter sequence of transcription start site of SICYP73A14

>SL2.50ch05:59020065..59015066

ACAAATTTAGATATG**TAAATGTAT**GTTGGAAAAATATATGGATTAATACTTTTTAATAAGTAAT
TACTGATTTTAGCGACTTTTCTTTAGGTTAAATTCATGGGTGGCTCCCTAATCTTGGCACCA
ATTTTCACTTAAGTTCCTCAATTAGGCAATTTTCATTTTAGACACCTCATGTAGGGTCTATTT
TGTCATTTTGACATTTTCTAACAATAAAATAAAAACTAAAGGAGAGTGTAATACGCTTGTT
GATGACGTGACAAACAATCAATTAAATAATTATGTGTGTTATTTTCAATTAATAATAATTATAA
AAATCTATTTAGTAAAT**AAATTAAA**ATATTATTCTAAGAAAATCTCTATTTCACTACACTCAA
ATCTATTTTGTGTTTTCTCAAAAAAATATTTTTTCTTTTACTATTTTCATATTTATTCATCTT
CTTTCTTTTAGTATTGTTTTTTGGAAAGAAAAGAGGGAGAGGAAGAAAGAGAAGAGAATA
AATATGAAATATGGGTGTTGGTATCCATTTTTTTGGCAAAATATGGAGGAATGTGATGATAGA
TTTAGATAAGTAATACGATGAAGAAGAAGAAAATGACTTAAAAATGAACTTGAATAAAAAA
TTTGACCTCCATTGAAGGAATTTAAGCTTGAAAAAAGGATAGGGGGTGGTGGCTTGAAAAA
TGGAGAAGAAGAAGAGAAAATA**AAATTAAA**AATGGCTAAATTAAGTCTTTCACGCGATATT
GTTGAGTATATCTCACTCACTTTGACATGTTAGCGAAAAATGTCAAAATGATACAACAGAAC
CCTACATGAGGTGTCTAAAATGAACATCGCCTAATTGAGGTGTTAAGTGAAAATTGGTGCC
AAATTTAGGGGGTCACCGATAGATTTGGCCTTTTATTTATCACCATTATAGTAACACATAAC
AATACTATGTTAAATCTGCAATATGTATTAAGTAATTTATGTATGCAATATATATGTATTATA
ACTGTTTTTTAACTATATTATGCTTGTTTGAAAAGAAATTGACATATTGTATTATATGAGTATT
AAAATGTGTGA**TAAATGTAT**TAACCATCAATAACGCTACTATATGTGAATAACATATTCTTCTT
TGTAATATACATTAAAATTGTATAATAAATGAACTAGTAAAAATACCCGCGTTTCGTGCGGGA
GTTAAATATTACAAAATTATAAAATAATACTTAAAGTACATCGGTCATTAAACCTAAAATTCT
ATATTCTCTTACACACAAGATTATGTAGTAAGAATCATTAACGATGTAAAGGAACATAAAAAAT
TATTGCATCTTATCATTTATCCTTAATAATATAAGCATAAACTAATGAGTGTAACAATACATACC
AGGATCTGTGAGATAAACAATGATGCTTGTTAGCCACTCAACAGGAGCAAGATACATAAATA
TTTAAAGAAGAAGGTTTAAATTTTTATTTTTTTTAAATGGGAGGAAAACCTCACTATTTAT
TGTGTGAACAAAGGGTAGTGTGGAAGAATATTTATTGTGGCTTATCGAAAAGTTACAACATAA
TTGGAAGAAAGTTACAATCCTTCATTAATGTCACAATCTTTCAGAAAAATCACAACCTTTTCATA
AGAATCGCAACTCTTTATTAAATCACAACCTTTTCATAAAAGTCGCAATTCTTTATAAAAAATCG
CAACTCTTCATTAATGTCGCGATTTTTTATAAAAGTCACAACATCCATAAATATCACAACCTT
TCATGAAAGGTGAAGGTAGTTTTGTAAATAAATTAATTAAGAGAATTCTTGTTTGTGGT
GGCGCCACGTAGGCGTGCCTAAGATTCTCTTTTATATAATTATATGATATGATTAAAAATGATC
AGGTGAAAAAATATTATTGTATAACTGATAAATATTTTTATAATGTAATATATTTATGTAAGT
TTCCCGAAACCTATACATTTTGGGTTTTATATAATGAATTGATGATGAATTTGTTTGGTTATAC
CCAAAGAATTAGACATAAGAATATATGTGGTATAATGTTTTAACTTCTACTTGTTTTAAAAAAT
ATTAAAAATTAATCGATTTGTATCAATGTTAAAAAGAAACCAAGATAATGAATTGGTTTCAA
GAAAAAA**AAATTAGT**TATACAAATCAATTAATAAAAAATTAATTTAAGATAAATTTTATAAA
ATAACTACGTAACAATATCATTGACACCTTAATTACTTTTCGTTATAATCTAAATAATTTTGT
GAATATATGGAATCGTATTTATCACTCGAATTAGGCTAGTAGATATGTCATAATACCAAATATT
TGTTGATTACATTTAGTAATCTTTATCATGTTATGTATTAATGTTTATTATTAATAAAAAAATATC
TATAATTACTCAAATTTGACCTTATTATATAGAATCAACTCTTGCTTTTTATATTAGTGGCAG
CCATCTTAAATGTGGAACTTTAAATGGAATTAGTTCAAGACCAATTGGATTCTTTAATCT
CTCATTGGACATAAATTTTGAAGTAGTCGATTTGAACATCCGTTTTACTTAGAAAAAATTTG
AAATTATGTGAATAAAAGTAAAATTTCTCAAATAAGGTTTTGAAAAAATAAAAAATATTCG

AAGATCAAATATTCAAATCTAAAAAAATCAAATGATTCATGGCTAAATTAATATTTAAAAA
TAACTTTTTAAAATTTGAATTTACGATCAAACGATAGCTTACCTATGACATTAAGATTACGTA
GAAAAAATGTTTAAATGTAGATGAATGACATTTTGGCTTTACCAAACATGAATCTACTAGTT
TTGACTTGATTAATAGATAGCCACTATATACATTCTCCTACCTAGAATTTGAACATGCCCATGG
ATTATACACAAAACCATTTGACAACAACTTTCCTACCCCCACCATGTTGTCAATTTTACTTC
ATATATATACACATAATTAACACCTTATGC