Supplemental Table S1:

Of the 224 overexpressed genes in tumor samples not developing PCR following an anthracycline-taxane treatment, 135 genes had AUC values of 0.7 or higher.

Gene	Mean-nonresponder	Mean-responder	Fold change	MannW_p	ROC AUC	ROC_AUC_p
ORAI3	934.6	580.6	1.61	7.87E-28	0.77	p<1E-16
BCAM	972.1	417.3	2.33	4.29E-25	0.756	p<1E-16
ATP6V0A1	945.1	592.5	1.6	9.53E-25	0.754	p<1E-16
KIAA0556	949.5	614.4	1.55	1.67E-24	0.753	p<1E-16
TNK1	833.5	463.8	1.8	5.87E-24	0.75	p<1E-16
RAB26	582.0	330.2	1.76	5.20E-24	0.75	p<1E-16
ILK	1440.0	964.5	1.49	1.59E-23	0.747	p<1E-16
KIAA0586	514.6	328.2	1.57	3.74E-23	0.745	p<1E-16
FAM63A	1178.4	673.4	1.75	4.67E-23	0.744	p<1E-16
SKAP1	662.9	378.9	1.75	9.76E-23	0.743	p<1E-16
C8orf30A	1418.2	831.1	1.71	9.02E-23	0.743	p<1E-16
BLOC1S1	1384.2	884.7	1.56	7.79E-23	0.743	p<1E-16
ZNF629	764.7	511.3	1.5	1.29E-22	0.742	p<1E-16
GRINA	968.8	570.7	1.7	2.19E-22	0.741	p<1E-16
ITPKC	630.8	404.4	1.56	3.39E-22	0.74	p<1E-16
SALL2	750.8	439.2	1.71	4.95E-22	0.739	p<1E-16
P4HTM	1576.4	923.0	1.71	3.82E-22	0.739	p<1E-16
CNR2	536.9	256.3	2.1	7.57E-22	0.737	p<1E-16
C19orf22	4693.4	2569.9	1.83	7.98E-22	0.737	p<1E-16
APBB3	581.0	358.1	1.62	1.11E-21	0.737	p<1E-16
STXBP2	516.7	269.2	1.92	1.20E-21	0.736	p<1E-16
ADAP1	959.8	581.7	1.65	1.36E-21	0.736	p<1E-16
PPP2R4	1018.9	632.0	1.61	1.47E-21	0.736	p<1E-16
RAB17	603.0	338.4	1.78	2.06E-21	0.735	p<1E-16
NAPA	1117.6	642.8	1.74	3.27E-21	0.734	p<1E-16
CNNM3	734.3	445.8	1.65	2.57E-21	0.734	p<1E-16
DALRD3	1316.1	812.5	1.62	4.01E-21	0.733	p<1E-16
CHST10	580.7	376.5	1.54	4.90E-21	0.733	p<1E-16
GRIK5	514.1	267.2	1.92	6.70E-21	0.732	p<1E-16
PCGF1	602.0	348.5	1.73	7.50E-21	0.732	p<1E-16
FXYD3	1842.2	1156.2	1.59	7.49E-21	0.732	p<1E-16
GDI1	1945.2	1259.5	1.54	6.76E-21	0.732	p<1E-16
ERAL1	629.5	408.6	1.54	7.41E-21	0.732	p<1E-16
CNTD2	769.0	411.0	1.87	9.85E-21	0.731	p<1E-16
TPCN1	839.1	551.1	1.52	1.06E-20	0.731	p<1E-16

PCGF2	762.2	501.9	1.52	1.05E-20	0.731	p<1E-16
ZYX	1062.1	612.9	1.73	1.22E-20	0.73	p<1E-16
SCAMP5	539.7	317.8	1.7	1.60E-20	0.73	p<1E-16
ABHD4	1138.7	748.3	1.52	1.54E-20	0.73	p<1E-16
MGRN1	1064.1	724.1	1.47	1.46E-20	0.73	p<1E-16
ZNF552	969.9	497.9	1.95	2.34E-20	0.729	p<1E-16
CALCOCO1	917.0	544.4	1.68	2.34E-20	0.729	p<1E-16
FLOT2	1435.5	902.7	1.59	1.88E-20	0.729	p<1E-16
FPGS	610.0	384.2	1.59	1.91E-20	0.729	p<1E-16
TBC1D10B	1008.1	667.1	1.51	2.39E-20	0.729	p<1E-16
DOLPP1	876.5	592.2	1.48	2.03E-20	0.729	p<1E-16
TCTN2	1515.0	747.9	2.03	3.05E-20	0.728	p<1E-16
KDM6B	1097.6	603.5	1.82	2.63E-20	0.728	p<1E-16
PTPN9	564.5	358.7	1.57	2.71E-20	0.728	p<1E-16
DGKA	687.4	436.7	1.57	2.80E-20	0.728	p<1E-16
C9orf7	525.1	320.1	1.64	4.68E-20	0.727	p<1E-16
FAM102A	1379.4	885.2	1.56	4.67E-20	0.727	p<1E-16
NECAB3	661.5	428.0	1.55	4.00E-20	0.727	p<1E-16
MLEC	1824.7	1190.8	1.53	3.72E-20	0.727	p<1E-16
ABCA2	513.6	307.9	1.67	7.29E-20	0.726	p<1E-16
ROGDI	857.5	524.2	1.64	6.30E-20	0.726	p<1E-16
MOSPD3	517.3	323.2	1.6	7.02E-20	0.726	p<1E-16
NUCB1	1075.0	658.4	1.63	9.24E-20	0.725	p<1E-16
PHLDA3	710.9	457.8	1.55	9.90E-20	0.725	p<1E-16
MAZ	1196.7	802.5	1.49	7.60E-20	0.725	p<1E-16
TAC3	511.9	273.9	1.87	1.14E-19	0.724	p<1E-16
CCDC9	658.5	384.9	1.71	1.20E-19	0.724	p<1E-16
MYL4	572.7	295.0	1.94	2.52E-19	0.722	p<1E-16
WFS1	1021.1	662.1	1.54	3.17E-19	0.722	p<1E-16
PRR5	736.6	508.7	1.45	2.78E-19	0.722	p<1E-16
NR1D1	978.7	540.1	1.81	3.30E-19	0.721	p<1E-16
SLC2A9	591.1	346.5	1.71	4.73E-19	0.721	p<1E-16
IDUA	501.7	309.5	1.62	3.68E-19	0.721	p<1E-16
AGRN	1091.5	685.8	1.59	5.09E-19	0.72	p<1E-16
CHPF	735.7	471.5	1.56	5.42E-19	0.72	p<1E-16
BAP1	640.3	440.0	1.46	5.50E-19	0.72	p<1E-16
C19orf21	589.1	292.4	2.02	9.43E-19	0.719	p<1E-16
EPB49	529.6	288.5	1.84	9.45E-19	0.719	p<1E-16
ARFIP2	1327.2	823.7	1.61	8.14E-19	0.719	p<1E-16
ZNF467	617.6	407.3	1.52	7.26E-19	0.719	p<1E-16
MCRS1	593.8	406.0	1.46	7.05E-19	0.719	p<1E-16
PARP16	553.4	382.0	1.45	7.89E-19	0.719	p<1E-16
SAP25	725.7	422.1	1.72	1.30E-18	0.718	p<1E-16

RAB3IL1	600.2	349.8	1.72	1.20E-18	0.718	p<1E-16
IMPDH1	965.1	655.1	1.47	1.06E-18	0.718	p<1E-16
LOC171220	736.7	472.7	1.56	1.61E-18	0.717	p<1E-16
SORBS3	545.7	357.9	1.52	1.88E-18	0.717	p<1E-16
SHROOM2	507.3	340.5	1.49	1.50E-18	0.717	p<1E-16
TRMT2B	564.2	350.3	1.61	2.75E-18	0.716	p<1E-16
PPP2R1A	1344.2	850.2	1.58	2.08E-18	0.716	p<1E-16
MVK	1301.6	823.5	1.58	2.68E-18	0.716	p<1E-16
GIT1	686.8	382.1	1.8	3.46E-18	0.715	p<1E-16
IKBKG	1010.3	589.0	1.72	2.97E-18	0.715	p<1E-16
MID1IP1	669.9	439.7	1.52	3.47E-18	0.715	p<1E-16
SPR	981.2	653.3	1.5	4.85E-18	0.714	p<1E-16
OPHN1	10424.7	5011.5	2.08	6.15E-18	0.713	p<1E-16
GSK3A	846.2	544.0	1.56	7.90E-18	0.713	p<1E-16
AVPI1	769.8	523.5	1.47	6.12E-18	0.713	p<1E-16
GNAI2	895.3	612.7	1.46	7.18E-18	0.713	p<1E-16
REEP1	667.0	369.0	1.81	9.62E-18	0.712	p<1E-16
DMWD	1034.8	609.9	1.7	1.07E-17	0.712	p<1E-16
PXN	930.2	631.0	1.47	9.76E-18	0.712	p<1E-16
COX10	751.3	513.4	1.46	9.45E-18	0.712	p<1E-16
EEF1A2	896.7	276.4	3.24	1.67E-17	0.711	p<1E-16
EPHX1	1378.9	728.5	1.89	1.22E-17	0.711	p<1E-16
EML3	619.5	405.2	1.53	1.43E-17	0.711	p<1E-16
RMND5B	619.5	422.8	1.47	1.58E-17	0.711	p<1E-16
CGA	823.3	212.8	3.87	1.71E-17	0.71	p<1E-16
RNF122	594.5	347.1	1.71	2.09E-17	0.71	p<1E-16
MAP1A	637.1	398.1	1.6	1.79E-17	0.71	p<1E-16
BSG	1157.0	767.1	1.51	2.09E-17	0.71	p<1E-16
ARHGEF16	514.1	341.5	1.51	2.38E-17	0.71	p<1E-16
SLC22A5	716.4	481.7	1.49	1.91E-17	0.71	p<1E-16
SYT1	712.5	404.9	1.76	3.16E-17	0.709	p<1E-16
ARHGDIA	2101.6	1335.1	1.57	2.69E-17	0.709	p<1E-16
SAPS1	595.7	407.0	1.46	3.23E-17	0.709	p<1E-16
MEFV	538.8	233.6	2.31	4.64E-17	0.708	p<1E-16
AATK	505.5	319.5	1.58	3.99E-17	0.708	p<1E-16
KIAA1467	907.3	536.6	1.69	4.94E-17	0.707	p<1E-16
ATP10B	572.4	318.7	1.8	8.06E-17	0.706	p<1E-16
BANF1	2731.5	1748.7	1.56	8.49E-17	0.706	p<1E-16
TSPYL2	622.4	402.3	1.55	7.62E-17	0.706	p<1E-16
C12orf49	753.9	510.1	1.48	9.29E-17	0.706	p<1E-16
IPO13	714.4	483.7	1.48	6.74E-17	0.706	p<1E-16
UBA1	3649.4	2508.7	1.45	7.65E-17	0.706	p<1E-16
SEMA4A	744.7	474.0	1.57	1.12E-16	0.705	p<1E-16

REEP4	876.1	599.7	1.46	1.07E-16	0.705	p<1E-16
CYP1A2	524.9	297.9	1.76	1.37E-16	0.704	p<1E-16
CYP3A4	593.2	352.3	1.68	1.64E-16	0.704	p<1E-16
CLPTM1	690.1	422.3	1.63	1.47E-16	0.704	p<1E-16
PCBD1	772.0	499.3	1.55	1.62E-16	0.704	p<1E-16
PKM2	2953.3	1768.5	1.67	2.28E-16	0.703	p<1E-16
OGFR	695.9	464.1	1.5	2.40E-16	0.703	p<1E-16
CEP250	586.2	400.1	1.47	2.29E-16	0.703	p<1E-16
SPATA20	1134.0	747.5	1.52	3.23E-16	0.702	p<1E-16
MIIP	981.6	670.3	1.46	3.35E-16	0.702	p<1E-16
TRIP10	554.4	352.4	1.57	3.72E-16	0.701	p<1E-16
FMO4	642.5	434.9	1.48	5.04E-16	0.701	p<1E-16
PPP2R5D	1200.6	821.0	1.46	4.48E-16	0.701	p<1E-16
CYP2A6	667.5	241.7	2.76	6.73E-16	0.7	p<1E-16