

Table S2. Frequency of detection of potential phosphorylation sites at specific amino acid positions of the cell-associated NS1 protein

Source		Intracellular NSI																										Overall frequency of detection of phosphopeptides					
Cell type		HepG2										Sum	Huh7										Sum	Vero								Sum	
Sample set		1			2			3					1			2			3					1			2			3			
Position	Amino acid	1.1	1.2	1.3	2.1	2.2	2.3	3.1	3.2	3.3	1.1		1.2	1.3	2.1	2.2	2.3	3.1	3.2	3.3	1.1	1.2		1.3	2.1	2.2	2.3		3.1	3.2	3.3		
17	S	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0		-	-	-	-	-	-	-	-	0	-		-	-	-	-		-	-	-		1
22	T	-	-	1	-	-	-	-	-	-	1	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	-	-	-	1	1			
27	T	-	-	1	-	1	-	-	1	-	3	-	-	-	-	1	1	-	-	2	-	-	-	-	-	1	1	-	2	4			
29	T	2	-	2	1	-	-	-	1	-	6	1	-	1	2	1	-	-	-	5	-	-	-	-	-	-	-	2	2				
32	Y	2	-	-	1	1	-	-	-	-	4	1	-	1	2	-	1	-	-	5	-	-	-	-	-	1	1	-	-	2			
59	S	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0			
61	T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	1	-	-	-	-	-	-	-	1			
72	T	-	-	-	-	-	1	-	-	-	1	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0			
80	S	-	-	-	-	-	1	-	1	-	2	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0			
87	T	-	1	-	-	-	-	-	1	-	2	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	1	-	-	-	1			
90	T	-	1	-	-	-	-	-	1	1	3	-	-	-	-	-	1	-	-	1	-	-	-	-	1	-	-	-	-	1			
103	S	-	-	-	-	1	-	-	1	-	2	-	-	-	-	-	1	-	-	1	-	-	-	-	-	-	-	-	0	3			
113	Y	-	1	-	-	-	-	-	-	1	2	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	-	1	1	2	4			
114	S	-	1	-	-	-	-	-	-	-	1	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	-	1	1	2	3			
117	T	-	1	-	-	-	2	-	-	-	3	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	1	1	1	3	6			
125	S	-	1	-	-	-	2	-	-	-	3	-	-	1	1	-	-	-	-	2	-	-	-	-	-	1	1	1	3	8			
126	T	-	1	1	1	1	2	-	1	-	7	-	-	1	2	-	1	-	-	4	-	-	-	-	-	1	-	1	2	13			
128	S	-	1	1	1	1	1	-	1	1	7	-	-	-	2	-	1	-	-	3	-	-	-	-	-	1	-	1	2	12			
132	T	-	-	1	1	1	1	-	1	1	6	-	-	-	2	-	1	-	-	3	-	-	-	1	-	-	-	1	2	11			
181	S	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	1	-	-	1	2	-	-	-	-	-	-	1	1	3	3			
185	S	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	1	-	1	-	1	3	-	-	-	-	-	-	-	-	0	3			
200	Y	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	1	-	-	-	-	1			
204	S	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	1	-	-	-	-	1			
216	S	-	-	-	-	-	-	-	1	-	1	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	-	-	-	0	1			
228	S	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	1	-	-	-	1			
230	T	-	-	-	-	1	1	1	-	1	4	-	-	-	-	2	1	1	-	5	-	-	-	-	1	1	2	1	-	5			
233	S	-	-	-	-	1	1	1	1	1	5	-	-	-	-	2	1	1	-	5	-	-	-	-	1	1	1	1	-	4			
239	S	-	-	-	-	1	-	-	-	-	1	-	-	-	1	-	-	-	-	2	-	-	-	-	-	1	-	1	2	5			
252	S	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	1	-	-	-	1	2	2			
256	Y	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	-	-	1	1	1			
262	T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	1	-	-	-	-	-	1			
265	T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	-	-	-	-	-	1	1	1			
297	S	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0	1	-	1	-	-	-	-	-	2	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0			
300	T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0	1	-	-	-	-	-	-	-	1	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0			
301	T	-	-	1	-	-	-	-	-	-	1	1	1	-	-	-	-	-	-	2	1	-	-	-	-	-	-	-	-	4			
302	T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0	1	-	-	-	-	-	-	-	1	1	-	-	-	-	-	-	-	-	2			
304	S	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	1	-	-	-	-	-	1	1	-	-	-	-	-	-	-	-	2			
309	T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0	-	-	1	-	-	-	-	-	1	-	-	-	-	-	-	-	-	-	1			