

**Table S1.** Microorganisms identified by MALDI-TOF and FA-BCID.

Sample no.	Gram Stain	FA BCID Result		MALDI-TOF Result		Concordance	Antibiotic resistance genes
		Identification	Mono/polymicrobial	Identification	Mono/polymicrobial		
1	G(+) cocci in chain	<i>Enterococcus</i> <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	poly	<i>Enterococcus faecalis</i> <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	poly	Y	
2	G(+) cocci in chain	<i>Streptococcus</i>	mono	<i>Streptococcus anginosus</i>	mono	Y	
3	G(+) cocci in chain G(-) bacilli	<i>Enterococcus</i>	mono	<i>Enterococcus faecium</i> <i>Shewanella algae</i>	poly	N	
4	Yeast	<i>Candida tropicalis</i>	mono	<i>Candida tropicalis</i>	mono	Y	
5	G(+) cocci in chain	<i>Enterococcus</i>	mono	<i>Enterococcus faecalis</i>	mono	Y	
6	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i>	mono	<i>Escherichia coli</i>	mono	Y	
7	G(+) cocci in chain	<i>Enterococcus</i>	mono	<i>Enterococcus faecium</i>	mono	Y	
8	G(+) cocci in chain	<i>Streptococcus</i>	mono	<i>Streptococcus constellatus</i>	mono	Y	
9	Yeast	<i>Candida tropicalis</i>	mono	<i>Candida tropicalis</i>	mono	Y	
10	G(+) cocci in pairs Yeast	<i>Enterococcus</i> <i>Candida tropicalis</i>	poly	<i>Enterococcus faecium</i> <i>Candida tropicalis</i>	poly	Y	
11	G(+) cocci in chain G(-) rod	<i>Streptococcus</i>	mono	<i>Streptococcus intermedius</i>	mono	Y	
12	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i>	mono	<i>Escherichia coli</i>	mono	Y	
13	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i>	mono	<i>Escherichia coli</i>	mono	Y	
14	G(-) rod	<i>Klebsiella pneumoniae</i>	mono	<i>Klebsiella pneumoniae</i>	mono	Y	
15	G(-) rod	<i>Klebsiella pneumoniae</i>	mono	<i>Klebsiella pneumoniae</i>	mono	Y	
16	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i> <i>Klebsiella pneumoniae</i>	poly	<i>Escherichia coli</i> <i>Klebsiella pneumoniae</i>	poly	Y	
17	G(+) cocci in cluster	<i>Staphylococcus aureus</i>	mono	<i>Staphylococcus aureus</i>	mono	Y	
18	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i>	mono	<i>Escherichia coli</i>	mono	Y	
19	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i>	mono	<i>Escherichia coli</i>	mono	Y	
20	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i>	mono	<i>Escherichia coli</i>	mono	Y	
21	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i>	mono	<i>Escherichia coli</i>	mono	Y	
22	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i> <i>Klebsiella oxytoca</i>	poly	<i>Escherichia coli</i> <i>Klebsiella oxytoca</i>	poly	Y	
23	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i>	mono	<i>Escherichia coli</i>	mono	Y	
24	G(-) rod	<i>Staphylococcus aureus</i> (mecA+)	mono	<i>Staphylococcus aureus</i>	mono	Y	mecA+

25	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i>	mono	<i>Escherichia coli</i>	mono	Y	
26	G(+) cocci in cluster	<i>Staphylococcus aureus</i>	mono	<i>Staphylococcus aureus</i>	mono	Y	
27	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i>	mono	<i>Escherichia coli</i>	mono	Y	
28	G(+) cocci in cluster	<i>Staphylococcus aureus</i> (mecA+)	mono	<i>Staphylococcus aureus</i>	mono	Y	mecA+
29	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i> (KPC+)	mono	<i>Escherichia coli</i>	mono	N	KPC+
30	G(+) cocci in cluster	<i>Staphylococcus aureus</i> (mecA+)	mono	<i>Staphylococcus aureus</i> <i>Staphylococcus epidermidis</i>	poly	Y	mecA+
31	G(-) rod	<i>Klebsiella pneumoniae</i>	mono	<i>Klebsiella pneumoniae</i>	mono	Y	
32	G(-) rod	<i>Klebsiella pneumoniae</i>	mono	<i>Klebsiella pneumoniae</i>	mono	Y	
33	G(+) cocci in chain G(+) rod	None	-	<i>Enterococcus faecalis</i> <i>Clostridium tertium</i>	poly	N	
34	G(+) cocci in pairs	<i>Staphylococcus aureus</i> (mecA+) <i>Proteus</i>	poly	<i>Staphylococcus epidermidis</i>	mono	N	mecA+
35	G(+) cocci in cluster	<i>Staphylococcus aureus</i>		<i>Staphylococcus aureus</i>	mono	Y	
36	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i> <i>Proteus</i>	poly	<i>Escherichia coli</i>	mono	N	
37	G(-) rod	<i>Enterococcus</i> <i>Escherichia coli</i> <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	poly	<i>Escherichia coli</i>	mono	N	
38	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i> <i>Proteus</i>	poly	<i>Escherichia coli</i>	mono	N	
39	G(+) cocci in pairs	<i>Streptococcus pneumoniae</i> <i>Proteus</i>	poly	<i>Streptococcus pneumoniae</i>	mono	N	
40	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i> <i>Proteus</i>	poly	<i>Escherichia coli</i>	mono	N	
41	G(-) rod	<i>Klebsiella pneumoniae</i>	mono	<i>Klebsiella pneumoniae</i>	mono	Y	
42	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i>	mono	<i>Escherichia coli</i>	mono	Y	
43	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i>	mono	<i>Escherichia coli</i>	mono	Y	
44	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i>	mono	<i>Escherichia coli</i>	mono	Y	
45	G(-) rod	None	-	<i>Bacteroides fragilis</i>	mono	N	
46	G(-) rod	<i>Klebsiella pneumoniae</i>	mono	<i>Klebsiella pneumoniae</i>	mono	Y	
47	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i>	mono	<i>Escherichia coli</i>	mono	Y	
48	G(+) cocci, G(-) rod	<i>Enterococcus</i> <i>Staphylococcus aureus</i> (mecA+) <i>Streptococcus agalactiae</i> <i>Escherichia coli</i>	poly	<i>Streptococcus agalactiae</i>	mono	N	mecA+
49	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i>	mono	<i>Escherichia coli</i>	mono	Y	
50	G(-) rod	<i>Klebsiella pneumoniae</i> (KPC+)	mono	<i>Klebsiella pneumoniae</i>	mono	N	KPC+

51	G(+) cocci in cluster	<i>Staphylococcus aureus</i> (mecA+)	mono	<i>Staphylococcus caprae</i>	mono	N	mecA+
52	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i> <i>Proteus</i>	poly	<i>Escherichia coli</i>	mono	N	
53	G(-) rod	<i>Proteus</i>	mono	<i>Citrobacter youngae</i>	mono	N	
54	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i>	mono	<i>Escherichia coli</i>	mono	Y	
55	G(-) rod	<i>Klebsiella oxytoca</i>	mono	<i>Klebsiella oxytoca</i>	mono	Y	
56	G(+) cocci in cluster	<i>Staphylococcus</i> (mecA+)	mono	<i>Staphylococcus epidermidis</i>	mono	Y	mecA+
57	G(+) cocci in chain	<i>Streptococcus agalactiae</i> <i>Proteus</i>	poly	<i>Streptococcus agalactiae</i>	mono	N	
58	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i>	mono	<i>Escherichia coli</i>	mono	Y	
59	G(+) cocci in pairs, G(-) rod	<i>Enterococcus</i> <i>Enterobacteriaceae</i>	poly	<i>Enterococcus faecium</i> <i>Citrobacter freundii</i>	poly	Y	
60	G(-) rod	<i>Escherichia coli</i>	mono	<i>Escherichia coli</i>	mono	Y	

Abbreviation: FA-BCID; filmArray Blood culture identification, MALDI-TOF; matrix-assisted laser desorption/ionization time-of-flight; KPC, *Klebsiella pneumoniae* carbapenemas; mecA; methicillin resistance gene.