

STRAIN / ISOLATE	ACCESSION NUMBER	SPECIES MARKER							STAPHYLOXANTHIN BIOSYNTHESIS OPERON					REGULATORY GENES		
		rrnD1	gapA	katA	CoA	nuc1	spa	sbi	crtM		crtN	crtO	crtP	sarA	saeS	vraS
									crtM-nonST93	crtM-ST93						
		Domain 1 of 23S-rRNA	glyceraldehyde 3-phosphate dehydrogenase, locus 1	katalase A	coagulase	thermostable extracellular nuclease	staphylococcal protein A	IgG-binding protein	dehydroqualene synthase		dehydroqualene desaturase	staphyloxanthin acyltransferase	diagono-neuro-sporene oxidase	staphylococcal accessory regulator A	histidine protein kinase, sae locus	sensor protein
V40-124624	[pending]	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
V40-124624: in silico prediction	[pending]	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
SA-120: in silico prediction	GenBank JXIG/SAMN03219992	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
61908: in silico prediction	GenBank FJNO/SAMEA2298602	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
M1790_98_1: in silico prediction	GenBank FJNU/SAMEA1929516	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
GKP138-13: in silico prediction	GenBank FMRL/SAMEA1708807	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
GKP138-2: in silico prediction	GenBank FMRM/SAMEA1708977	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
GKP138-31: in silico prediction	GenBank FMRR/SAMEA1708981	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
GKP138-33: in silico prediction	GenBank FMRO/SAMEA1708977	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
GKP138-52: in silico prediction	GenBank FMRR/SAMEA1708955	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
GKP138-78: in silico prediction	GenBank FMRR/SAMEA1708688	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
GKP136-4: in silico prediction	GenBank FMRR/SAMEA1708785	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
ZTA09_03668_9_HSA: in silico prediction	SAMEA2298561	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
GKP136-58: in silico prediction	GenBank FMRI/SAMEA1708766	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
004_0004_23k: in silico prediction	SAMEA2298547	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
BA06_02038: in silico prediction	SAMEA2298548	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
GKP138-4: in silico prediction	GenBank FMRR/SAMEA1708883	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
ZTA10_02421_9_HSA: in silico prediction	SAMEA2298571	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
GKP136-62: in silico prediction	GenBank FMSC/SAMEA1708769	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
LGA251: in silico prediction	GenBank FR821779/SAMEA2272771	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
UK_NCTC13552: in silico prediction	GenBank LR134084/SAMEA3491693	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
GKP138-71: in silico prediction	GenBank FMPP/SAMEA1708930	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
cat-mandible-2013: in silico prediction	GenBank LUIFG/SAMN04537353	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
10_7350_D: in silico prediction	SAMEA1033305	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS
H114440275_A: in silico prediction	SAMEA1904132	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS

[illegible]

[illegible]

[illegible]

STRAIN / ISOLATE	METHICILLIN RESISTANCE AND SCCmec TYPING															
	B2Y834	B6VQU0	Q3YK51	ydhK	C1PH94	DUF1958	Q4LAG7		C5QAP8 (SCCmec XI)	Q8CU82	D3JD07	cas1		fusC (Q6GD50)	tirS	yeeA
							Q4LAG7 (SCCmecV, SO385)	Q4LAG7 (SCCfus 45394F/MSSA 476)				cas1 (MSHR1132)	cas1 (M06- 171)			
Abortive phage resistance protein. Subtyping SCCmec IV, i.e., identification of SCCmec IV A, G, c and SCCmec MRS42H47	Putative protein. Subtyping SCCmec IV, i.e., identification of SCCmec IVh)	Putative protein. Subtyping SCCmec IV, i.e., identification of SCCmec IV g	Putative lipoprotein. Present in some composite elements comprising SCCmec and heavy metal resistance genes including the one in PRR3757, Genbank: CP000255.1	Putative protein	Subtyping SCCmec VI. Present, e.g., in PM1, Genbank BAFA but absent, e.g., in Strain 3957, Genbank AOFU	Putative protein located within SCCmec type V elements	Putative protein located within SCCfus elements	Putative protein. Identification of SCCmec XI	Putative protein. Present in some SCCmec/fus composite elements.	Putative protein. Present in some composite SCC elements	CRISPR-associated endonuclease 1. Present in MSHR1132	CRISPR-associated endonuclease 1. Present in M06/O171, Genbank HE980450.1	SCC-associated fusidic acid resistance gene. Present in "SCCfus" elements or together with mecA in composite elements.	Staphylococcal TIR- protein binding protein. Subtyping SCCfus because it is frequently, but not always, accompanying fusC	Putative DNA methyltransferase. Subtyping SCCmec/fus composite elements	
V40-124624	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
V40-124624: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
SA-120: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
61908: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
M1790_98_1: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-13: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-2: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-31: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-33: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-52: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-78: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP136-4: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
ZTA09_03668_9_HSA: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP136-58: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
004_0004_23k: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
BA06_02038: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-4: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
ZTA10_02421_9_HSA: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP136-62: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
LGA251: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
UK_NCTC13552: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-71: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
cat-mandible-2013: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
10_7350_D: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
H114440275_A: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG

STRAIN / ISOLATE	METHICILLIN RESISTANCE AND SCCmec TYPING																	
	ACME				opp3B	opp3C	adhC	speG	ccrA/B-01		ccrA/B-02		ccrA/B-03		ccrAA/C		ccrA/B-04	
	arcA-SCC	arcB-SCC	arcC-SCC	arcD-SCC					ccrA-1	ccrB-1	ccrA-2	ccrB-2	ccrA-3	ccrB-3	ccrAA	ccrC (85-2082)	ccrA-4	ccrB-4
	Arginine deiminase	Ornithine carbamoyltransferase	Carbamate kinase	Arginine/ornithine antiporter					Cassette chromosome recombinase A, type 1	Cassette chromosome recombinase B, type 1	Cassette chromosome recombinase A, type 2	Cassette chromosome recombinase B, type 2	Cassette chromosome recombinase A, type 3	Cassette chromosome recombinase B, type 3	hypoth. Protein associated with ccrC	Cassette chromosome recombinase C	Cassette chromosome recombinase A, type 4	Cassette chromosome recombinase B, type 4
V40-124624	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
V40-124624: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
SA-120: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
61908: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
M1790_98_1: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-13: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-2: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-31: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-33: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-52: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-78: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP136-4: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
ZTA09_03668_9_HSA: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP136-58: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
004_0004_23k: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
BA06_02038: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-4: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
ZTA10_02421_9_HSA: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP136-62: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
LGA251: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
UK_NCTC13552: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-71: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
cat-mandible-2013: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
10_7350_D: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
H114440275_A: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG

STRAIN / ISOLATE	HEAVY METAL RESISTANCES, SCCmec AND OTHERS											
	merA	merB	mco -plasmid	copA2 - plasmid	copA2 -SCC	mco -SCC	arsA	arsD	arsD2	arsB		
										arsB (SCC)	arsB (chromos.)	arsB (chromos.- argenteus)
mercury resistance operon	Multi copper oxidase	Copper exporting ATPase	Copper exporting ATPase	Multi copper oxidase	arsenical pump- driving ATPase	Putative dehydrogenase	trans-acting repressor of arsenic resistance operon	arsenical pump membrane protein				
V40-124624	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
V40-124624: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
SA-120: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
61908: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
M1790_98_1: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
GKP138-13: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
GKP138-2: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
GKP138-31: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
GKP138-33: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
GKP138-52: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
GKP138-78: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
GKP136-4: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
ZTA09_03668_9_HSA: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
GKP136-58: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
004_0004_23k: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
BA06_02038: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
GKP138-4: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
ZTA10_02421_9_HSA: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
GKP136-62: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
LGA251: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
UK_NCTC13552: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG
GKP138-74: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG
cat-mandible-2013: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG
10_7350_D: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG
H114440275_A: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG

[illegible]

[illegible]

[illegible]

STRAIN / ISOLATE	RESISTANCE : MISCELLANEOUS GENES				RESISTANCE : MISCELLANEOUS GENES															
	sat	dfrA	dfrG	far1	mupA	mupB	tetK	tetL	tetM			cat	cfr	fexA	apmA	fosB	qacA	qacC	smr	vanA ,vanB, vanZ
									tetM	tetM-O	tetM-S									
	strepto-thricine-acetyl-transferase	dihydro-folate-reductase type 1	dihydrofolate-reductase	fusidic acid resistance	mupirocin resistance protein	plasmidic isoleucyl-tRNA synthetase	tetracycline resistance	Tetracycline resistance	tetracycline resistance			chloramphenicol acetyltransferase	23S rRNA methyltransferase	chloramphenicol/florfenicol exporter	aminocyclitol acetyltransferase	metallothiol transferase	quaternary ammonium compound resistance protein A	quaternary ammonium compound resistance protein C		vancomycin resistance genes
V40-124624	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
V40-124624: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
SA-120: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
61908: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
M1790_98_1: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-13: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-2: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-31: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-33: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-52: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-78: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP136-4: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
ZTA09_03668_9_HSA: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP136-58: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
004_0004_23k: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
BA06_02038: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-4: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
ZTA10_02421_9_HSA: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP136-62: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
LGA251: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
UK_NCTC13552: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-71: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
cat-mandible-2013: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
10_7350_D: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
H114440275_A: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG

[illegible]

STRAIN / ISOLATE	VIRULENCE : ENTEROTOXINS								VIRULENCE : HLG AND LEUKOCIDINS													
	egc (total)	selg	seli	selm	sen	selo	selu	ORF CM14	lukF	lukS		hlgA	lukF/S (int)	lukF-PV	lukS-PV	lukF-PV (P83)	lukM	lukD	lukE	lukX	lukY	
										lukS	lukS (ST22+ST45)										lukY	lukY (ST30+ST45)
egc cluster	Enterotoxin G	Enterotoxin I	Enterotoxin M	Enterotoxin N	Enterotoxin O	Enterotoxin U and/or Y	Enterotoxin-like protein ORF CM14	Haemolysin gamma / leukocidin, component B	Haemolysin gamma / leukocidin, component C	Haemolysin gamma,	intermedius group leukocidin	Panton Valentine leukocidin F component	Panton Valentine leukocidin S component	F component from ruminant leukocidin	S component from ruminant leukocidin	leukocidin D component	leukocidin E component	leukocidin/ haemolysin toxin family protein	leukocidin/haemolysin toxin family protein			
V40-124624	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG
V40-124624: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
SA-120: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
61908: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
M1790_98_1: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
GKP138-13: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
GKP138-2: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
GKP138-31: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
GKP138-33: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
GKP138-52: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
GKP138-78: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
GKP136-4: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
ZTA09_03668_9_HSA: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
GKP136-58: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
004_0004_23k: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
BA06_02038: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
GKP138-4: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
ZTA10_02421_9_HSA: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
GKP136-62: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
LGA251: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
UK_NCTC13552: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
GKP138-71: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
cat-mandible-2013: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
10_7350_D: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG
H114440275_A: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	POS	POS	NEG

[illegible]

STRAIN / ISOLATE	VIRULENCE : PROTEASES											VIRULENCE : STAPHYLOCOCCAL SUPERANTIGEN/ENTEROTOXIN-LIKE GENES (SET/SSL)									
	aur			splA	splB	splE	sspA	sspB	sspP		setC / selX	ssl01						ssl02			
	aur (cons)	aur (Other than MRSA252)	aur (MRSA252)						sspP (cons)	sspP (other than ST93)		ssl01/set6 (COL)	ssl01/set6 (Mu50+ N315)	ssl01/set6 (MW2+ MSSA476)	ssl01/set6 (MRSA252)	ssl01/set6 (RF122)	ssl01/set6 (other alleles)	ssl02/set7	ssl02/set7 (MRSA252)		
	aureolysin			serin- protease A	serin- protease B	serin- protease E	glutamylendopeptidase	Staphopain B, protease	Staphopain A (Staphylopain A), protease		Staphyl. exotoxin-like protein	Staphylococcal superantigen-like protein 1						Staphylococcal superantigen-like protein 2			
V40-124624	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	NEG		
V40-124624: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	NEG		
SA-120: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
61908: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
M1790_98_1: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
GKP138-13: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
GKP138-2: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
GKP138-31: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
GKP138-33: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
GKP138-52: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
GKP138-78: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
GKP136-4: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
ZTA09_03668_9_HSA: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
GKP136-58: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
004_0004_23k: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
BA06_02038: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
GKP138-4: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
ZTA10_02421_9_HSA: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
GRP136-62: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
LGA251: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
UK_NCTC13552: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	NEG		
GKP138-74: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
cat-mandible-2013: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
10_7350_D: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		
H114440275_A: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	AMB		

STRAIN / ISOLATE	VIRULENCE : STAPHYLOCOCCAL SUPERANTIGEN/ENTEROTOXIN-LIKE GENES (SET/SSL)													VIRULENCE : SET/SSL GENES								
	ssl03		ssl04		ssl05			ssl06		ssl07			ssl08	ssl09		ssl10			ssl11			
	ssl03/set8	ssl03/set8 (MRSA252, SAR0424)	ssl04/set9	ssl04/set9 (MRSA252, SAR0425)	ssl05/set3	ssl05/set3 (RF122, probe-611)	ssl05/set3 (MRSA252)	ssl06/set21	ssl06 (NCTC8325+ MW2)	ssl07/set1	ssl07/set1 (MRSA252)	ssl07/set1 (AF188836)		ssl09/set5 probes 1&2	ssl09/set5 (MRSA252)	ssl10/set4	ssl10 (RF122)	ssl10/set4 (MRSA252)	ssl11/set2 (COL)	ssl11/set2 (Mu50+ N315)	ssl11/set2 (MW2+ MSSA476)	ssl11/set2 (MRSA252)
	Staphylococcal superantigen-like protein 3		Staphylococcal superantigen-like protein 4		Staphylococcal superantigen-like protein 5			Staphylococcal superantigen-like protein 6		Staphylococcal superantigen-like protein 7				Staphylococcal superantigen- like protein 8	Staphylococcal superantigen-like protein 9		Staphylococcal superantigen-like protein 10			Staphylococcal superantigen-like protein 11		
V40-124624	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	AMB	NEG	POS	NEG	NEG	AMB	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
V40-124624: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
SA-120: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
61908: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
M1790_98_1: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-13: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-2: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-31: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-33: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-52: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-78: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP136-4: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
ZTA09_03668_9_HSA: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP136-58: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
004_0004_23k: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
BA06_02038: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-4: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
ZTA10_02421_9_HSA: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP136-62: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
LGA251: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
UK_NCTC13552: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-71: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
cat-mandible-2013: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
10_7350_D: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG
H114440275_A: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG

STRAIN / ISOLATE	VIRULENCE : SET/SSL GENES																		
	setB3		setB2		setB1	Capsule type 1			Capsule type 5			Capsule type 8				icaA	icaC	icaD	bap
	setB3	setB3 (MRSA252)	setB2	setB2 (MRSA252)		capH1	capJ1	capK1	capH5	capJ5	capK5	capH8	capI8	capJ8	capK8				
Staphylococcus exotoxin-like protein, second locus					capsular poly-saccharide synthesis enzyme	O-antigen polymerase	capsular polysaccharide biosynthesis protein	capsular polysaccharide synthesis enzyme	O-antigen polymerase	capsular polysaccharide biosynthesis protein	capsular polysaccharide synthesis enzyme	capsular polysaccharide biosynthesis protein	O-antigen polymerase	capsular polysaccharide biosynthesis protein	intercellular adhesion protein A	intercellular adhesion protein C	biofilm PIA synthesis protein D	Surface protein involved in biofilm formation	
V40-124624	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
V40-124624: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
SA-120: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
61908: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
M1790_98_1: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
GKP138-13: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
GKP138-2: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
GKP138-31: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
GKP138-33: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
GKP138-52: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
GKP138-78: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
GKP136-4: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
ZTA09_03668_9_HSA: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
GKP136-58: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
004_0004_23k: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
BA06_02038: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
GKP138-4: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
ZTA10_02421_9_HSA: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
GKP136-62: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
LGA251: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
UK_NCTC13552: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
GKP138-71: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
cat-mandible-2013: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
10_7350_D: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG
H114440275_A: in silico prediction	POS	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG

STRAIN / ISOLATE	ADHAESION FACTORS / GENES ENCODING MICROBIAL SURFACE COMPONENTS RECOGNIZING ADHESIVE MATRIX MOLECULES (MSCRAMM GENES)																	
	bbp						clfA					clfB					cna	
	bbp	bbp (cons)	bbp (COL+MW2)	bbp (MRSa252)	bbp (Mu50)	bbp (RF122)	bbp (ST45)	clfA	clfA (cons)	clfA (COL+RF122)	clfA (MRSa252)	clfA (Mu50+MW2)	clfB	clfB (cons)	clfB (COL+Mu50)	clfB (MW2)		clfB (RF122)
Bone sialoprotein-binding protein							Clumping factor A					Clumping factor B					Collagen-binding adhesion	
V40-124624	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	AMB	NEG
V40-124624: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
SA-120: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
61908: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
M1790_98_1: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
GKP138-13: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
GKP138-2: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
GKP138-31: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
GKP138-33: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
GKP138-52: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
GKP138-78: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
GKP136-4: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
ZTA09_03668_9_HSA: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
GKP136-58: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
004_0004_23k: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
BA06_02038: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
GKP138-4: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
ZTA10_02421_9_HSA: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
GKP136-62: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
LGA251: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
UK_NCTC13552: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
GKP138-74: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
cat-mandible-2013: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
10_7350_D: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB
H114440275_A: in silico prediction	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	AMB

STRAIN / ISOLATE	ADHAESION FACTORS / GENES ENCODING MICROBIAL SURFACE COMPONENTS RECOGNIZING ADHESIVE MATRIX MOLECULES (MSCRAMM GENES)														
	ebh	ebp5					eno	efb		fnbA					
	ebh (cons)	ebp5	ebp5_probe 612	ebp5_probe 614	ebp5 (01-1111)	ebp5 (COL)		efb / fib	efb / fib (MRSA252)	fnbA	fnbA (cons)	fnbA (COL)	fnbA (MRSA252)	fnbA (Mu50+MW2)	fnbA (RF122)
	Cell wall associated fibronectin-binding protein	cell surface elastin binding protein					enolase	fibrinogen binding protein (19 kDa)		fibronectin-binding protein A					
V40-124624	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
V40-124624: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
SA-120: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
61908: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
M1790_98_1: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-13: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-2: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-31: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-33: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-52: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-78: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP136-4: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
ZTA09_03668_9_HSA: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP136-58: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
004_0004_23k: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
BA06_02038: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-4: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
ZTA10_02421_9_HSA: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP136-62: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
LGA251: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
UK_NCTC13552: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
GKP138-71: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
cat-mandible-2013: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
10_7350_D: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG
H114440275_A: in silico prediction	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG

STRAIN / ISOLATE	ADHAESION FACTORS / GENES ENCODING MICROBIAL SURFACE COMPONENTS RECOGNIZING ADHESIVE MATRIX MOLECULES (MSCRAMM GENES)															
	fnbB						map				sasG				sasX / sesI	
	fnbB	fnbB (COL)	fnbB (COL+Mu50+MW2)	fnbB (Mu50)	fnbB (MW2)	fnbB (ST15)	fnbB (ST45-2)	map	map (COL)	map (MRSA252)	map (Mu50+MW2)	sasG	sasG (COL+Mu50)	sasG (MW2)		sasG (OtherThan25+122)
	Fibronectin-binding protein B						Major histocompatibility complex class II analog protein (i-Extracellular adherence protein, eap)				Staphylococcus aureus surface protein G					
V40-124624	POS	NEG	POS	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
V40-124624: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
SA-120: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
E1908: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
M1790_98_1: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKPl38-13: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKPl38-2: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKPl38-31: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKPl38-33: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKPl38-52: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKPl38-78: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKPl36-4: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
ZTA09_03668_9_HSA: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKPl36-58: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
004_0004_23k: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
BA06_02038: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	AMB	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKPl38-4: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
ZTA10_02421_9_HSA: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKPl36-62: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
LG6A251: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
UK_NCTC13552: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
GKPl38-71: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
ant-nr016b-2013: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
10_Z550_D: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG
H114440275_A: in silico prediction	POS	NEG	AMB	AMB	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG

STRAIN / ISOLATE	ADHAESION FACTORS / MSCRAMM GENES																	
	sdrC						sdrD					vwb						
	sdrC	sdrC (B1)	sdrC (COL)	sdrC (Mu50)	sdrC (MW2+MRSA 252+RF122)	sdrC (OtherThan25 2+RF122)	sdrD	sdrD (cons)	sdrD (COL+MW2)	sdrD (Mu50)	sdrD (other)	vwb	vwb (cons)	vwb (COL+MW2)	vwb (MRSA252)	vwb (Mu50)	vwb (RF122)	
	Ser-Asp rich fibrinogen /bone sialoprotein-binding protein C						Ser-Asp rich fibrinogen /bone sialoprotein-binding protein D					van Willebrand factor binding protein						
V40-124624	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
V40-124624: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
SA-120: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
61908: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
M1790_98_1: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
GKP138-13: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
GKP138-2: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
GKP138-31: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
GKP138-33: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
GKP138-52: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
GKP138-78: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
GKP136-4: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
GKP136-4: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
ZTA09_03668_9_HSA: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
GKP136-58: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
004_0004_23k: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
BA06_02038: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
GKP138-4: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
ZTA10_02421_9_HSA: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
GKP136-62: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
LGA251: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
UK_NCTC13552: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
GKP138-74: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
cat-mandible-2013: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
10_7350_D: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	
H114440275_A: in silico prediction	POS	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	

STRAIN / ISOLATE	IMMUNOD.AG.B		DEFENSIN RESIST.		TRANSFERRIN BINDING PROT			PUTATIVE TRANSPORTER				TYPE I RESTRICTION-MODIFICATION SYSTEM, SINGLE SEQUENCE SPECIFICITY PROTEIN					
	isaB		mprF		isdA			lmrP				hsdS1		hsdS2			
	isaB	isaB (MRSA252)	mprF (COL+MW2)	mprF (Mu50+252)	isdA (cons)	isdA (MRS2A252)	isdA (Other Than MRS2A252)	lmrP (OtherThanRF 122)	lmrP (OtherThanRF 122)	lmrP (RF122)	lmrP (RF122)	hsdS1-RF122	hsdS2-ST5+ST8	hsdS2-MW2+476	hsdS2-RF122	hsdS2-MRSA252	
	immunodominant antigen B		defensin resistance protein		transferrin-binding protein			hypothetical protein, similar to integral membrane protein LmrP				type I site-specific deoxyribo-nuclease subunit, 1st locus		type I site-specific deoxyribo-nuclease subunit, 2nd locus			
V40-124624	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
V40-124624: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
SA-120: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
61908: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
M1790_98_1: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
GKP138-13: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
GKP138-2: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
GKP138-31: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
GKP138-33: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
GKP138-52: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
GKP138-78: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
GKP136-4: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
ZTA09_03668_9_HSA: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
GKP136-58: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
004_0004_23k: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
BA06_02038: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
GKP138-4: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
ZTA10_02421_9_HSA: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
GKP136-62: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
LGA251: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
UK_NCTC13552: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
GKP138-74: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
cat-mandible-2013: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
10_7350_D: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	
H114440275_A: in silico prediction	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	POS	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	

STRAIN / ISOLATE	TYPE I RESTRICTION-MODIFICATION SYSTEM, SINGLE SEQUENCE SPECIFICITY PROTEIN							MISCELLANEOUS GENES								
	hsdS3					hsdSx			ear2 = Q2FXC0	Q2YU83	Q7A4X2	Q931R4 (CC5, CC15, CC30, CC97, CC188, ST1850)	Q9RL82			Q2G1R6- genomic island / cstB
	hsdS3- AllOtherThan RF122+252	hsdS3- ST8+ST1+RF12 2	hsdS3- Mu50+N315	hsdS3- CC51+252	hsdS3- MRSA252	hsdSx-CC25	hsdSx-CC15	hsdSx-etd					Q9RL82 (consensus)	Q9RL82 (CC8)	Q9RL82- CC10/361	
	type I site-specific deoxyribonuclease subunit, 3rd locus					type I site-specific deoxyribonuclease subunit, unknown locus			Putative protein	Multidrug resistance transporter	Putative protein	major facilitator superfamily transporter	Putative protein			
V40-124624	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
V40-124624: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
SA-120: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
61908: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
M1790_98_1: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
GKP138-13: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
GKP138-2: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
GKP138-31: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
GKP138-33: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
GKP138-52: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
GKP138-78: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
GKP136-4: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
ZTA09_03668_9_HSA: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
GKP136-58: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
004_0004_23k: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
BA06_02038: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
GKP138-4: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
ZTA10_02421_9_HSA: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
GKP136-62: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
LGA251: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
UK_NCTC13552: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
GKP138-74: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
cat-mandible-2013: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
10_7350_D: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS
H114440275_A: in silico prediction	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	POS	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	NEG	POS

STRAIN / ISOLATE	MISCELLANEOUS GENES												HYALURONATE LYASE							
	sau				sau96I	G7ZRu6	ycjY	sagD	G7ZTC1		sdrM / tetEfflux	Q2YUB3	hysA1			hysA2				
	sau3AI	sauUSI	sauRF122	sauSO385					G7ZTC1	G7ZTC1- argenteus			hysA1 (MRSa252)	hysA1 (MRSa252+RF 122) and/or hysA2 (cons)	hysA1 (MRSa252+RF 122) and/or hysA2 (COL+USA300)	hysA2 (All Other Than MRSa252)	hysA2 (COL+USA300 +NCTC8325)	hysA2 (All Other Than COL+USA300+ NCTC8325)	hysA2 (All Other Than COL+USA300+ NCTC8325)	hysA2 (MRSa252)
	type II restriction-modification system endonuclease					acetyltransferase, GNAT family, "Argenteus/ST1850 like"	Marker for "Argenteus/ST1850- like", CC12, CC361, CC398	Putative bacteriocin biosynthesis associated protein	TetR family regulator		Multidrug resistance transporter	Hyaluronate lyase, variable first / second locus				Hyaluronate lyase, second locus				
V40-124624	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG
V40-124624: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	POS	POS
SA-120: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
61908: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
M1790_98_1: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
GKP138-13: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
GKP138-2: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
GKP138-31: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
GKP138-33: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
GKP138-52: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
GKP138-78: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
GKP136-4: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
ZTA09_03668_9_HSA: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
GKP136-58: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
004_0004_23k: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
BA06_02038: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
GKP138-4: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
ZTA10_02421_9_HSA: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
GKP136-62: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
LGA251: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
UK_NCTC13552: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
GKP138-71: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
cat-mandible-2013: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
10_7350_D: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG
H114440275_A: in silico prediction	NEG	POS	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POS	NEG	POS	POS	POS	NEG	NEG	POS	AMB	NEG