

**Table S3.** Corrected lengths of microsatellite loci.

Strain	Length (bases) of amplicon produced at the microsatellite locus *												
	ML005	ML007	ML011	ML013	ML027	ML037	ML041	ML047	ML055	ML067	ML069	ML075	ML097
CBS 11176	293	414	266	356	339	265	307	309	223	183	158	160	196
CBS 11628	422	392	292	386	351	259	318	290	253	207	158	-	263
CBS 117138	293	261	278	354	363	283	312	309	266	201	158	-	196
CBS 178.71	286	241, 277	266	392	336, 374	289	312	296, 309	266	171, 216	158	145	265
CBS 182.33	299	464	266	356	339	265	318	309	257	183	158	160	196
CBS 476.83	453	308	295	389	351	259	321	290	253	269	158	-	226
CBS 557.83	394	345	286	380	351	259	315	290	253	180	158	-	238
CBS 615.84	293, 296	361, 461	266	356	339, 374	265	307	309	257	183, 260	158	160	196
CBS 9194	302	282	280	328	360	303	275	280	328	337	158	145	206
CLIB 1154	459	453	295	389	351	286	332	290	253	213	158	-	259
CLIB 1235	312	338	266	356	339	265	307, 365	309	257	183	152	160	196
CLIB 1236	299	342	266	356	374	265	312	309	257	183	158	163	196
CLIB 1237	296	367	266	359	374	283	307	309	257	189	158	145	196
CLIB 1239	293	364	266	354	339	283	307	309	266	183	158	145	196
CLIB 1240	302	261	266	356	339	286	318	309	266	183	158	160	196
CLIB 1241	293	364	266	354	339	283	307	309	266	183	158	145	196
CLIB 1242	302	261	266	356	339	265	318	309	266	183	158	160	196
CLIB 1243	302	261	266	356	339	265	318	309	266	183	158	160	196
CLIB 1244	306	261	266	356	339	286	318	309	266	183	158	160	196
CLIB 1245	306	261	266	356	339	286	318	309	266	183	158	160	196
CLIB 1246	306	261	266	356	339	286	318	309	266	183	158	160	196
CLIB 1247	306	261	266	356	339	286	318	309	266	183	158	160	196
CLIB 1248	299	383	266	356	339	265	307	309	260	183	158	160	196
CLIB 1249	317	348	266	354	374	283	307	309	257	189	158	160	185, 196
CLIB 1251	322	342	266	354	374	265	307	309	257	189	158	163	196
CLIB 1252	322	342	266	354	374	265	307	309	257	189	158	163	196
CLIB 1253	302	261	266	356	339	265	318	309	266	183	158	160	196
CLIB 1254	302	261	266, 286	356	339	286	318	309	266	183	158	160	196
CLIB 1255	302	261	266	356	339	265	318	309	266	183	158	160	196
CLIB 1256	302	261	286	356	339	265	318	309	266	183	158	160	196
CLIB 1257	293	691	266	319	339	283	307	309	257	189	158	154	196

CLIB 1258	296	261	266	370	363	283	321	309	266	189	158	142	196
CLIB 1260	293	710	266	319	339	283	307	309	257	189	158	154	196
CLIB 1262	296	348	266	319	339	283	312	309	288	183	158	151	196
CLIB 1263	293	342	266	354	374	283	307	309	288	189	158	163	196
CLIB 1267	293	388	266	356	339	265	307	309	257	183	158	160	196
CLIB 1270	293	345	266	356	339	283	312	309	266	183	158	160	196
CLIB 1274	309	301	266	356	339	265	307	309	257	189	158	163	196
CLIB 1283	302	323	266	356	339	265	307	309	266	236	158	160	196
CLIB 1284	312	338	266	319	374	283	307	309	257	183	158	160	196
CLIB 1285	296	504	266	356	363	283	318	309	257	189	158	160	196
CLIB 918	296	348	266	319	339	283	312	309	288	183	158	151	196
CNRZ 818	299	484	266	324	310	283	307	309	266	183	158	151	196
CNRZ 819	296	461	266	356	339	265	307	309	257	183	158	160	196
CNRZ 820	319	261	266	319	363	283	307	309	288	189	158	160	196
CNRZ 821	299	477	266	324	310	283	307	309	266	183	158	151	196
CNRZ 822	302	261	266	356	339	265	318	305	266	183	158	160	196
CNRZ 823	293	357	266	354	374	283	307	309	266	189	158	145	196
DSM 10452	293	423	266	313	383	283	312	316	257	183	158	92	196
DSM 13629	293	261	274	313	363	286	312	309	266	219	158	154	196
EL13-B1-3	302	261	266	356	339, 374	286	318	309	266	183	158	160	196
FM 03	293	261	266	370	363	283	318	309	257	189	158	92	196
FM 115	299	477	266	350	366	283	312	309	266	207	158	92	196
FM 119	293, 302	323	266	356, 370	339, 363	265, 283	307, 318	309	257, 266	189, 227	158	145	196
FM 12	302	261	266	356	339	286	318	309	266	183	158	160	196
FM 122	296	255	266	368	363	283	312	296	266	189	158	92	196
FM 125	293	388	266	359	339	265	307	309	257	183	158	160	192
FM 136	296	380	266	313	310	265	307	301	266	189	158	160	196
FM 212	290	261	266	350	363	283	318	309	266	207	158	105	196
FM 213	293	247, 380	266	319	339	283	318	309	288	183	158	151	196
FM 214	293	380	266	319	339	283	318	309	288	183	158	151	196
FM 267	299	247, 392	266	356	339	265	312	309	257	183	158	145	196
FM 268	293	392	266	359	339	265	307	309	257	186	158	160	196
FM 269	293	474	266	356	310	283	307	309	266	183	158	151	196
FM 270	306	535	266	356	339	265	309	309	257	236	158	160	196
FM 29	306	261	266	356	339	265	318	309	266	183	158	160	196

FM 30	299	530	266	313	339	283	312	309	266	183	158	145	196
FM 31	302	261	266	356	339	286	318	309	266	183	158	160	196
FM 34	293	388	266	359	339	265	307	309	257	183	158	160	196
FM 76	299	439	266	324	310	283	307	309	266	183	158	151	196
FM 77	299	477	266	324	310	283	307	309	266	183	158	151	196
LCP 51.590 (CLIB 1415)	293	261	266	370	363	283	312	309	277	224	158	92	196
MUCL 11539	322	261	266	307	363	283	312	309, 321	277	216	158	145	196
MUCL 14462	306	292	271	442	360	315	275	290	277	290	158	216	206
MUCL 8652	293	261	166	213	366	192	318	309	188	105	158	92	139
MUCL 881	296	364	266	356	374	265	312	309	257	251	158	-	196
NBRC 5368	290	261	266	313	366	283	289	309	266	189	158	-	196
NCYC 49	312	662	266	319	374	265	312	309	266	183	158	145	196
NT 12	378	355	292	386	354	269	332	290	253	210	158	-	226
VTTC 4559	293	261	278	354	363	283	312	309	266	219	158	145	211

\*) Where two values are indicated for a given strain and locus, it is probable that the strain is diploid heterozygous at least for this locus. Where one value is given, no conclusion may be drawn concerning the ploidy of the strain.