

Table S2. Fold-change values of apoptosis-associated factors after single or double infection with HCMV and HHV-6A.

Factor	Fold-change expression of analyzed factors (*)																	
	0 d.p.i.			1 d.p.i.			2 d.p.i.			4 d.p.i.			7 d.p.i.			10 d.p.i.		
	HCMV	HHV-6A	HCMV/ HHV-6A	HCMV	HHV-6A	HCMV/ HHV-6A	HCMV	HHV-6A	HCMV/ HHV-6A	HCMV	HHV-6A	HCMV/ HHV-6A	HCMV	HHV-6A	HCMV/ HHV-6A	HCMV	HHV-6A	HCMV/ HHV-6A
<i>ABL1</i>	1.15	-1.12	1.27	-1.08	1.3	1.62	-1.19	1.21	-1.13	1.13	1.03	-1.05	-1.01	-1.34	-1.9	1.3	1.01	-2.67
<i>AIFM1</i>	-1.04	-1.19	-1.06	1.28	1.12	1.43	1.34	-1.05	1.43	-2.16	1.29	1.31	2.03	-1.35	1.39	2.48	-1.09	2.06
<i>AKT1</i>	1.02	1.04	1.11	1.26	1.04	1.34	1.07	1.13	1.35	-1.54	-1.07	1.15	1.72	-1.28	1.36	1.02	1.12	1.18
<i>APAF1</i>	1.07	1.47	1.3	1.4	1.16	1.1	1.06	1.09	1.04	-2.13	1.46	-1.16	2.27	-1.32	1.33	2.39	-1.08	1.33
<i>BAD</i>	1.01	1.03	1.05	-1.01	1.02	1.19	1.01	-1.07	-1.02	1.55	-1.15	-1.02	2.52	-1.86	-1.07	1.97	-1.24	1.08
<i>BAG1</i>	1.16	-1.2	-1.17	1.62	1.85	4.43	1.56	1.31	1.33	1.71	-1.54	1.79	1.97	-1.75	2.59	1.99	-1.19	-1.92
<i>BAG3</i>	1.22	1.06	1.31	2.24	1.24	1.68	-1.01	-1.02	1.18	1.83	-1.14	1.5	1.98	-1.73	1.96	2.38	-1.23	3.15
<i>BAK1</i>	1.05	1.09	1.22	1.45	-1.01	1.84	1.72	1.22	1.65	-1.23	1.01	1.27	2.17	-1.5	3.33	1.1	-1.15	2.35
<i>BAX</i>	-1.18	-1.11	1.1	1.23	1.18	1.33	1.02	-1.04	1.26	-1.56	-1.01	1.19	1.37	-1.08	-1.04	-1.4	1.06	-1.8
<i>BCL10</i>	1.03	1	-1.16	1.42	1.06	1.32	1.03	-1.11	-1.01	-2.82	1.13	-1.15	1.94	-1.66	1.12	-1.72	-1.05	-1.05
<i>BCL2</i>	1.97	1.26	1.33	1.08	1.15	1.71	-1.49	-1.09	-1.47	2.29	2.31	-1.41	3.89	5.42	-2.04	1.35	1.18	-1.37
<i>BCL2A1</i>	-1.26	1.77	4.87	-1.36	-1.51	7.18	-1.43	-2.71	-3.49	-1.89	-1.1	14.66	2.92	-2.73	3.99	1.33	-2.01	-1.08
<i>BCL2L1</i>	-1.39	-1.07	1.12	1.12	1.02	1.14	-1.13	1.01	-1.11	-1.22	-2.35	-1.2	2.78	-2.1	-1.16	2.89	-1.31	-2.64
<i>BCL2L10</i>	1.05	1.44	1	1.16	1.02	1.39	3.6	-1.03	2.1	1.34	1.87	1.04	2.95	-1.13	4.42	2.69	1.48	4.76
<i>BCL2L11</i>	1.52	1.35	1.17	1.54	1.08	3.35	2.59	1.16	1.51	-1.6	-1.23	-1.62	1.43	-2.28	1.08	-1.11	-1.84	-1.05
<i>BCL2L2</i>	-1.02	1.89	1.77	1.51	1.29	2.16	1.25	1.06	1.32	-1.06	-1.14	1.12	1.93	-1.61	1.31	1.17	-1.2	-1.11
<i>BFAR</i>	1.1	1.27	1.39	1.08	1.07	1.45	1.06	-1.18	-1.07	1.33	-1.32	-1.07	1.72	-1.76	-1.12	1.92	-1.1	-1.31
<i>BID</i>	1.06	1.12	1.32	1.38	1.05	2.16	-1.01	-1.06	1.21	-2.23	1.02	2.93	3.26	-2.44	7.02	5.1	1.7	6.43
<i>BIK</i>	1.06	2.18	4.87	1.74	-2.38	2.25	2.86	-2.44	2.27	-1.17	-1.31	81.8	1.02	-1.03	76.28	-2.49	1.35	113.46
<i>BIRC2</i>	1.01	1.08	1.37	1.14	1.01	1.77	-1.17	-1.05	-1.02	-2.13	1.9	-1.19	1.38	2.24	-1.27	-2.46	2.97	-1.9
<i>BIRC3</i>	1.43	1.19	1.82	1.48	1.02	3.57	-1.87	-1.11	-1.59	-3.05	1.83	1.95	-3.45	-5.78	4.39	2.64	2.82	-1.28
<i>BIRC5</i>	-1.3	-1.38	-1.2	1.35	1.15	-2.26	2.35	-1.02	2.4	-1.63	-1.02	23.72	1.17	1.8	2.83	-1.95	2.48	3.01
<i>BIRC6</i>	-1.21	1.01	1.09	1.22	1.04	1.15	1.05	-1.06	-1.18	-1.98	1.11	-1.3	-1.1	1.31	1.1	-2.8	1.99	1.11
<i>BNIP2</i>	-1.38	1.13	1.1	1.17	-1.05	1.38	1.15	-1.06	1	-1.16	-1.07	-1.04	1.21	-1.16	-1.17	-1.24	1.19	-1.24
<i>BNIP3</i>	-1.17	1.09	1.09	1.06	1.02	1.26	-1.09	-1.26	-1.04	-1.85	1.33	-1.07	1.31	1.11	1.06	-2.71	1.61	1.02
<i>BNIP3L</i>	-1.14	1.16	1.1	1.01	1.05	1.44	-1.13	-1.03	-1.32	-2.15	-1.03	-1.48	-1.41	1.15	-2.51	-1.32	1.29	-2.74
<i>BRAF</i>	-1.33	1.11	1.15	-1.15	-1.03	1.28	-1.07	1.02	1.44	2.13	1.04	1.54	1.26	1.07	1.87	-2.52	1.6	1.05
<i>CASP1</i>	1.27	-1	1.01	3.63	1.27	7.88	2.35	-1.11	2.46	1.41	1.13	2.74	2.83	1.06	1.24	-4.38	1.17	-49.92

CASP10	1.06	-1.25	-1.01	1.41	1.1	2.45	1.53	-1.16	1.46	1.22	-1.17	1.39	1.67	-1.28	1.01	2.93	1.18	-2.16
CASP14	1.11	-1.03	2.04	1.91	1.82	3.95	1.64	-1.01	1.23	-1.24	1.03	2.84	2.25	-1.54	-1.16	2.17	-1.28	-1.11
CASP2	-1.24	-1.02	1.07	1.83	1.14	1.61	1.68	-1.14	1.64	-1.3	1.15	1.22	1.88	-1.33	1.82	-1.26	1.28	1.81
CASP3	-1.2	1.01	1.15	1.18	-1.12	1.52	1.35	1.21	1.39	1.78	-1.09	-1.06	2.05	1.1	2.71	-2.31	1.61	-1.14
CASP4	-2.83	1.02	1.11	1.53	1.03	2.2	1.15	-1.16	1.17	2.09	2.44	1.28	1.53	2.05	1.18	-2.59	1.18	-1.55
CASP5	-1.01	-1.91	-4.81	-1.42	-2.55	-3.67	1.07	-1.02	1.14	1.03	1.16	-1.15	1.63	-1.43	2.97	-2.11	1.05	1.37
CASP6	1.18	1.12	1.03	1.4	1.02	1.37	1.49	1.1	1.39	-1.55	1.37	-1	2.45	-1.1	-1.06	-2.02	1.1	-1.47
CASP7	-1.58	1.01	1.07	2.23	1.47	2.86	1.29	-1.08	1.22	2.28	-1.1	1.47	2.01	-1.1	1.07	-1.74	1.29	-2.13
CASP8	1.49	-1.06	1.01	1.58	1.01	2.11	1.31	-1.05	1.79	1.6	-1.49	1.04	1.47	-2.42	-1.14	-1.2	-1.49	-2.46
CASP9	-2.62	-1.05	1.05	-1.03	1.01	1.26	1.02	-1.04	1.19	-1.11	2.25	1.18	2.1	-2.53	-1.24	-1.12	5.13	-1.24
CD27	1.31	-1.21	-1.75	3.68	3.47	3.84	1.58	2.29	5.09	3.58	-1.07	-1.6	14.42	-2.56	6.25	7.06	-2.53	-4.05
CD40	1.06	-1.5	-1.21	1.38	1.2	3	1.05	-1.02	1.22	-1.22	-1.17	1.71	-1.38	-1.28	4.38	2.22	2.09	2.55
CD40LG	1.87	1.23	2.06	1.31	1.6	2.1	1.1	-1.17	1.13	1.39	-1.14	1.24	1.93	-2.52	-2.01	1.85	-1.23	1.59
CD70	1	-1.18	1.5	1.2	1.74	2.72	1.41	1.34	1.21	1.78	1.12	1.69	2.37	-1.04	1.71	-2.04	1.52	1.1
CFLAR	1.12	1.15	1.05	1.46	1.19	2.4	1.03	-1.05	1.01	1.22	2.81	-1.19	1.46	-2.51	-1.28	1.52	-2.95	-3.85
CIDEA	-1.02	-2.82	1.25	-1.02	-2.71	-1.29	1.45	-2.69	1.36	-1.04	-1.16	2.68	2.4	-1.83	-1.94	2.08	-1.26	1.08
CIDEB	1	-1.06	1.1	1.45	1.11	1.53	1.09	-1.27	1.08	-1.22	-1.2	1.16	2.15	-1.79	1.64	1.12	-1.43	2.66
CRADD	-1.42	1.13	1.1	-1.03	-1.17	-1.1	1.37	-1.01	1.05	-1.25	1.19	-1.29	2.1	1.51	1.06	1.72	1.51	2.19
CYCS	1.17	-1.92	-1.32	2.1	1.16	1.72	1.03	-1.8	1.11	2.01	1.03	1.16	3.61	-1.99	-1.76	2.84	1.35	-1.14
DAPK1	1.01	1.58	1.15	1.02	1.42	2.18	-1.11	-1.08	-1.37	1.43	-1.33	-1.09	2.72	-1.78	1.07	1.19	-1.47	2.25
DFFA	-1.08	1.17	1.12	1.35	1.08	1.36	1.1	-1.21	1.07	2.07	1.26	1.21	2.87	-2.13	1.54	2.02	-1.51	1.78
DIABLO	-1.01	-1	-1.17	-1.21	-1.2	1.04	1.07	-1.03	1.12	2.88	1.29	-1.1	2.11	-2.03	1.27	2.64	-1.4	1.61
FADD	1.25	1.09	1.15	1.34	1.11	1.53	1.29	-1.03	1.29	1.82	1.24	1.24	1.57	1.43	1.9	-2.89	2.36	1.35
FAS	1.06	1.15	1.13	1.34	1.02	1.78	1.12	1.03	1.09	1.22	1.01	1.05	1.67	-1.28	-1.12	2.93	3.7	-3.35
FASLG	1.19	-1.87	-1.26	1.33	1.67	2.33	1.76	-1.32	2.32	-1.74	1.74	1.21	2.92	-1.3	-2.15	-1.84	1.15	1.82
GADD45A	-1.1	-1.24	-1.13	1.05	1.05	1.36	1.26	-1.03	1.18	1.33	1.07	-1.16	-1.23	-2.34	-1.34	1.33	-1.21	1.01
HRK	-1.12	1.09	-2.64	-1.73	1.36	3.95	1.1	-1.01	-1.16	2.08	1.3	2.05	2.38	-1.42	2.52	-1.22	-1.05	2.85
IGF1R	1.06	1.03	1.06	-1.02	1.07	2.27	-1.19	-1.43	-1.35	1.22	-1.17	-1.3	1.67	-1.28	-2.18	-3.65	1.18	-2.05
IL10	2.41	-1.7	-3.63	2.32	-1.16	2.51	-1.18	-2.16	-1.11	1.22	-1.17	2.58	2.88	1.4	-1.77	2.21	1.18	1.16
LTA	1.06	-1.03	-1.65	1.54	2.48	2.14	1.06	1.21	1.8	-1.22	1.03	-1.02	2.05	-1.19	-2.23	1.82	1.04	-1.48
LTBR	1.02	1.18	1.23	1.31	1.53	2.49	-1.36	-1.09	-1.12	1.44	-1.22	1.33	1.48	-1.05	1.43	-2.59	1.49	-1.04
MCL1	1.19	-1.08	1.07	1.02	1.07	1.63	-1.06	-1.12	-1.03	3.37	-1.2	-1.17	2.35	-1.05	-1.57	1.39	1.42	-2.84
NAIP	1.59	1.59	-1.56	-1.28	1.3	-1.09	1.07	-1.49	1.18	-1.36	1.32	-1.56	2.44	-1.26	-1.97	-1.18	1.05	1.03

<i>NFKB1</i>	-1.14	1.21	1.41	1.33	1.08	1.78	-1.02	1.05	1.02	2.21	1.42	-1.22	2.96	-1.28	-1.34	1.64	1.06	-2.89
<i>NOD1</i>	1.01	-1.22	-1.2	2.39	1.1	3.57	1.66	-1.14	1.5	1.73	-1.12	2.09	2.39	-2.42	2.63	1.87	-1.56	1.73
<i>NOL3</i>	1.05	1.09	1.27	1.43	1.22	1.66	1.08	-1.09	1.03	-1.31	-1.89	1.24	-1.14	-2.83	-1.75	-2.39	-2.41	-2.52
<i>PYCARD</i>	1.18	1.07	1.08	1.35	-1.02	2.17	-1.05	-1.02	1.09	1.16	-1.02	-1.38	1.02	-1.09	-3.62	-1.41	1.13	-7.53
<i>RIPK2</i>	2.88	1.12	1.15	1.25	1.17	2.31	-1.06	-1.19	1.1	6.79	-1.17	1.13	4.64	3.91	2.08	2.53	1.18	1.87
<i>TNF</i>	1.48	1.28	-1.02	1.11	1.07	5.97	4.96	-1.02	15.21	-2.83	-1.02	-1.15	3.33	-1.55	23.35	2.36	-1.54	4.27
<i>TNFRSF10A</i>	1.43	1.06	1.11	2.11	1.16	3.43	1.94	-1.18	1.39	-1.17	1.47	2.38	3.24	-1.55	7.82	-1.28	1.34	5.06
<i>TNFRSF10B</i>	1.24	-1.03	-1.04	1.21	-1.04	1.71	1.13	-1.09	1.11	-1.82	-1.44	-1.28	1.24	1.31	1	-2.47	1.96	-1.35
<i>TNFRSF11B</i>	1.31	-1.16	1.03	-1.29	-1.09	1.06	-1.36	-1.06	-1.47	1.11	1.27	-1.05	2.25	-1.8	-1.19	2.21	-1.38	-2.69
<i>TNFRSF1A</i>	1.38	1.17	1.37	-1.16	1.14	1.27	-1.09	1.04	-1.02	-1.05	-1.02	1.02	2.21	-2.6	-1.29	2.27	-1.17	-1.91
<i>TNFRSF1B</i>	1.05	-1.06	-1.06	1.11	-2.7	1.23	1.18	-1.05	1.01	1.58	1.36	2.05	1.58	-1.2	6.03	-2.71	1.23	3.36
<i>TNFRSF21</i>	2.3	-1.05	1.04	-1.03	1.12	1.65	-1.08	1.04	1.07	1.75	-1.12	-1.16	2.14	-2.39	-3.17	1.97	-1.56	-2.59
<i>TNFRSF25</i>	2.02	2.84	2.34	1.11	-7.21	-1.18	-1.01	-1.65	1.15	2.9	-14.34	-4.58	16.48	-15.68	1.43	14.29	-10.37	-2.03
<i>TNFRSF9</i>	1.71	-1.5	-1.25	1.23	2.5	8.66	1.2	-1.46	5.7	5.17	2.03	-1.06	4.73	2.34	8.78	-2.43	2.19	5.57
<i>TNFSF10</i>	-2.15	1.25	-1.12	8.19	-1.05	58.8	4.22	-1.04	7.77	2.24	-1.51	5.13	1.67	-2.39	6.94	2.93	2.25	-11.46
<i>TNFSF8</i>	1.13	1.37	-1.49	-1.9	-3.43	1.91	1.42	-2.91	-1.12	-1.3	1.16	-1.08	2.03	-1.75	-1.63	1.51	-1.03	2.68
<i>TP53</i>	1.1	-1.15	1.09	1.31	1.14	1.54	1.12	-1.11	1.01	-1.4	1.19	1.13	1.64	-1.14	-1.25	1.02	1.49	-1.22
<i>TP53BP2</i>	2.73	1.34	1.51	1.13	-1.15	1.63	1.08	-1.03	-1.17	1.22	1.85	1.07	-2.05	1.55	2.07	2.11	1.34	2.26
<i>TP73</i>	1.43	-1.09	-2.14	1.17	1.38	2.07	1.24	-1.14	1.3	-2.04	2.13	1.32	2.17	-1.58	-1.13	2.59	-1.4	4.86
<i>TRADD</i>	1.29	-1.66	-1.22	1.17	-1.35	1.76	1.08	1.19	1.02	1.14	1.22	1.18	2.37	-1.9	1.45	2.23	-1.08	1.54
<i>TRAF2</i>	1.42	1.04	1.15	1.55	1.09	1.46	1.21	1.11	1.23	-1.45	1.12	1.74	2.16	-1.39	2.49	1.75	1.14	2.34
<i>TRAF3</i>	-1.19	1.01	1.09	1.29	1.2	1.48	1.11	1.08	1.3	-1.28	-1.13	1.02	1.9	-1.28	1.73	-2.13	1.05	1.09
<i>XIAP</i>	1.23	1	1.1	1.07	-1.02	1.6	1.26	-1.02	1.07	-1.85	-2.14	1.22	2.28	-2.26	-1.8	1.48	-2.43	-2.67

(*) Results are expressed as mean values of fold-change observed in single- or double-infected cells, compared to uninfected control cells. All values exceeding +2 or -2 folds are indicated in bold. Orange boxes indicate >3 up-regulated factors. Blue boxes indicate <-3 down-regulated factors.