

Figure S2. Estimates of evolutionary divergence between sequences of 8 endemic *Paphiopedilum* species based on 5 single sequences ITS, *matK*, *trnL*, *rpoB*, *rpoC1*

[illegible]

(Numbers of the first horizontal line were corresponding to numbers of the first vertical column that represent studied samples.

Numbers inside were estimated genetic distance between pairs of samples.

min: minimum genetic distance of matrix
max: maximum genetic distance of matrix
average: average genetic distance of matrix)

matk matrix		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23
1	DEL-2																							
2	DEL-46	0.000																						
3	DEL-47	0.000	0.000																					
4	DEL-187	0.000	0.000	0.000																				
5	DEL-188	0.000	0.000	0.000	0.000																			
6	DAL-138	0.021	0.021	0.021	0.021	0.021																		
7	DAL-139	0.021	0.021	0.021	0.021	0.021	0.000																	
8	DAL-143	0.023	0.023	0.023	0.023	0.023	0.002	0.002																
9	GRA-145	0.019	0.019	0.019	0.019	0.019	0.005	0.005	0.007															
10	GRA-146	0.019	0.019	0.019	0.019	0.019	0.005	0.005	0.007	0.000														
11	GRA-180	0.019	0.019	0.019	0.019	0.019	0.005	0.005	0.007	0.000	0.000													
12	GRA-182	0.019	0.019	0.019	0.019	0.019	0.005	0.005	0.007	0.000	0.000	0.000												
13	HAN-16	0.012	0.012	0.012	0.012	0.012	0.030	0.030	0.031	0.028	0.028	0.028	0.028											
14	HAN-17	0.012	0.012	0.012	0.012	0.012	0.030	0.030	0.031	0.028	0.028	0.028	0.028	0.000										
15	HAN-18	0.012	0.012	0.012	0.012	0.012	0.030	0.030	0.031	0.028	0.028	0.028	0.028	0.000	0.000									
16	HEL-69	0.020	0.020	0.020	0.020	0.020	0.006	0.006	0.008	0.001	0.001	0.001	0.001	0.029	0.029	0.029	0.029							
17	HEL-70	0.020	0.020	0.020	0.020	0.020	0.006	0.006	0.008	0.001	0.001	0.001	0.001	0.029	0.029	0.029	0.029	0.000						
18	HEL-71	0.020	0.020	0.020	0.020	0.020	0.006	0.006	0.008	0.001	0.001	0.001	0.001	0.029	0.029	0.029	0.029	0.000	0.000					
19	HER-177	0.019	0.019	0.019	0.019	0.019	0.004	0.004	0.006	0.000	0.000	0.000	0.000	0.028	0.028	0.028	0.028	0.001	0.001	0.001				
20	TRA-63	0.019	0.019	0.019	0.019	0.019	0.005	0.005	0.007	0.000	0.000	0.000	0.000	0.028	0.028	0.028	0.028	0.001	0.001	0.001	0.000			
21	TRA-64	0.019	0.019	0.019	0.019	0.019	0.005	0.005	0.007	0.000	0.000	0.000	0.000	0.028	0.028	0.028	0.028	0.001	0.001	0.001	0.000	0.000		
22	TRA-66	0.019	0.019	0.019	0.019	0.019	0.005	0.005	0.007	0.000	0.000	0.000	0.000	0.028	0.028	0.028	0.028	0.001	0.001	0.001	0.000	0.000	0.000	
23	VIE-130	0.009	0.009	0.009	0.009	0.009	0.024	0.024	0.026	0.022	0.022	0.022	0.022	0.022	0.014	0.014	0.014	0.023	0.023	0.023	0.000	0.022	0.022	0.022

trnl matrix		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23
1	DEL-2																							
2	DEL-46	0.000																						
3	DEL-47	0.000	0.000																					
4	DEL-187	0.000	0.000	0.000																				
5	DEL-188	0.000	0.000	0.000	0.000																			
6	DAL-138	0.029	0.029	0.029	0.029	0.029																		
7	DAL-139	0.029	0.029	0.029	0.029	0.029	0.000																	
8	DAL-143	0.029	0.029	0.029	0.029	0.029	0.005	0.005																
9	GRA-145	0.032	0.032	0.032	0.032	0.032	0.007	0.007	0.007															
10	GRA-146	0.029	0.029	0.029	0.029	0.029	0.005	0.005	0.005	0.002														
11	GRA-180	0.029	0.029	0.029	0.029	0.029	0.005	0.005	0.005	0.002	0.000													
12	GRA-182	0.029	0.029	0.029	0.029	0.029	0.005	0.005	0.005	0.002	0.000	0.000												
13	HAN-16	0.017	0.017	0.017	0.017	0.017	0.029	0.029	0.029	0.032	0.029	0.029	0.029											
14	HAN-17	0.017	0.017	0.017	0.017	0.017	0.029	0.029	0.029	0.032	0.029	0.029	0.029	0.000										
15	HAN-18	0.017	0.017	0.017	0.017	0.017	0.029	0.029	0.029	0.032	0.029	0.029	0.029	0.000	0.000									
16	HEL-69	0.029	0.029	0.029	0.029	0.029	0.005	0.005	0.005	0.002	0.000	0.000	0.000	0.029	0.029	0.029								
17	HEL-70	0.029	0.029	0.029	0.029	0.029	0.005	0.005	0.005	0.002	0.000	0.000	0.000	0.029	0.029	0.029	0.000							
18	HEL-71	0.029	0.029	0.029	0.029	0.029	0.005	0.005	0.005	0.002	0.000	0.000	0.000	0.029	0.029	0.029	0.000	0.000						
19	HER-177	0.029	0.029	0.029	0.029	0.029	0.005	0.005	0.005	0.002	0.000	0.000	0.000	0.029	0.029	0.029	0.000	0.000	0.000					
20	TRA-63	0.029	0.029	0.029	0.029	0.029	0.005	0.005	0.005	0.002	0.000	0.000	0.000	0.029	0.029	0.029	0.000	0.000	0.000	0.000				
21	TRA-64	0.029	0.029	0.029	0.029	0.029	0.005	0.005	0.005	0.002	0.000	0.000	0.000	0.029	0.029	0.029	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000			
22	TRA-66	0.029	0.029	0.029	0.029	0.029	0.005	0.005	0.005	0.002	0.000	0.000	0.000	0.029	0.029	0.029	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000		
23	VIE-130	0.005	0.005	0.005	0.005	0.005	0.024	0.024	0.024	0.027	0.024	0.024	0.024	0.012	0.012	0.012	0.024	0.024	0.024	0.024	0.024	0.024	0.024	0.024

rpoB matrix		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23
1	DEL-2																							
2	DEL-46	0.000																						
3	DEL-47	0.000	0.000																					
4	DEL-187	0.000	0.000	0.000																				
5	DEL-188	0.000	0.000	0.000	0.000																			
6	DAL-138	0.016	0.016	0.016	0.016	0.016																		
7	DAL-139	0.012	0.012	0.012	0.012	0.012	0.004																	
8	DAL-143	0.014	0.014	0.014	0.014	0.014	0.010	0.006																
9	GRA-145	0.014	0.014	0.014	0.014	0.014	0.002	0.002	0.008															
10	GRA-146	0.014	0.014	0.014	0.014	0.014	0.002	0.002	0.008	0.000														
11	GRA-180	0.014	0.014	0.014	0.014	0.014	0.002	0.002	0.008	0.000	0.000													
12	GRA-182	0.014	0.014	0.014	0.014	0.014	0.002	0.002	0.008	0.000	0.000	0.000												
13	HAN-16	0.002	0.002	0.002	0.002	0.002	0.014	0.010	0.012	0.012	0.012	0.012	0.012											
14	HAN-17	0.002	0.002	0.002	0.002	0.002	0.014	0.010	0.012	0.012	0.012	0.012	0.012	0.000										
15	HAN-18	0.002	0.002	0.002	0.002	0.002	0.014	0.010	0.012	0.012	0.012	0.012	0.012	0.000	0.000									
16	HEL-69	0.014	0.014	0.014	0.014	0.014	0.002	0.002	0.008	0.000	0.000	0.000	0.000	0.012	0.012	0.012								
17	HEL-70	0.014	0.014	0.014	0.014	0.014	0.002	0.002	0.008	0.000	0.000	0.000	0.000	0.012	0.012	0.012	0.000							
18	HEL-71	0.014	0.014	0.014	0.014	0.014	0.002	0.002	0.008	0.000	0.000	0.000	0.000	0.012	0.012	0.012	0.000	0.000						
19	HER-177	0.016	0.016	0.016	0.016	0.016	0.003	0.003	0.011	0.000	0.000	0.000	0.000	0.013	0.013	0.013	0.000	0.000	0.000					
20	TRA-63	0.014	0.014	0.014	0.014	0.014	0.002	0.002	0.008	0.000	0.000	0.000	0.000	0.012	0.012	0.012	0.000	0.000	0.000	0.000				
21	TRA-64	0.014	0.014	0.014	0.014	0.014	0.002	0.002	0.008	0.000	0.000	0.000	0.000	0.012	0.012	0.012	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000			
22	TRA-66	0.014	0.014	0.014	0.014	0.014	0.002	0.002	0.008	0.000	0.000	0.000	0.000	0.012	0.012	0.012	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000		
23	VIE-130	0.006	0.006	0.006	0.006	0.006	0.019	0.015	0.017	0.017	0.017	0.017	0.017	0.004	0.004	0.004	0.017	0.017	0.017	0.000	0.017	0.017	0.017	

rpoC1 matrix		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23
1	DEL-2																							
2	DEL-46	0.000																						
3	DEL-47	0.000	0.000																					
4	DEL-187	0.000	0.000	0.000																				
5	DEL-188	0.000	0.000	0.000	0.000																			
6	DAL-138	0.011	0.011	0.011	0.011	0.011																		
7	DAL-139	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.004																	
8	DAL-143	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.004	0.000																
9	GRA-145	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.004	0.000	0.000															
10	GRA-146	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.004	0.000	0.000	0.000														
11	GRA-180	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.004	0.000	0.000	0.000	0.000													
12	GRA-182	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.004	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000												
13	HAN-16	0.009	0.009	0.009	0.009	0.009	0.011	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007											
14	HAN-17	0.009	0.009	0.009	0.009	0.009	0.011	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.000										
15	HAN-18	0.009	0.009	0.009	0.009	0.009	0.011	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.000	0.000									
16	HEL-69	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.004	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.007	0.007	0.007								
17	HEL-70	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.004	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.007	0.007	0.007	0.000							
18	HEL-71	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.004	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.007	0.007	0.007	0.000	0.000						
19	HER-177	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.004	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.007	0.007	0.007	0.000	0.000	0.000					
20	TRA-63	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.004	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.007	0.007	0.007	0.000	0.000	0.000	0.000				
21	TRA-64	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.004	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.007	0.007	0.007	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000			
22	TRA-66	0.009	0.009	0.009	0.009	0.009	0.011	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.004	0.004	0.004	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007		
23	VIE-130	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.009	0.004	0.004	0.004	0.004	0.004	0.004	0.007	0.007	0.007	0.004	0.004	0.004	0.004	0.004	0.004	0.004	0.007
		<div><div>min</div><div>max</div><div>average</div><div>0.000</div><div>0.011</div><div>0.005</div></div>																						