

**Supplementary Table S4** Allele distribution and frequency in samples from Italian (I) and Balkan/Pannonian regions (B).

MA4			MA7			MA14			MA12		
Alleles	I	B	Alleles	I	B	Alleles	I	B	Alleles	I	B
<b>146*</b>	0.003		<b>202*</b>	0.003		<b>142</b>	0.012	0.090	<b>126*</b>		0.010
<b>148</b>	0.006		<b>210</b>	0.006		<b>144</b>	0.056	0.030	<b>128*</b>		0.010
<b>150*</b>	0.003		<b>212</b>	0.892	1.000	<b>146</b>	0.003	0.010	<b>130*</b>		0.010
<b>152*</b>	0.009		<b>214</b>	0.096		<b>148</b>	0.009	0.110	<b>132</b>	0.435	0.667
<b>156</b>	0.034	0.019	<b>216*</b>	0.003		<b>162</b>	0.006		<b>134</b>	0.488	0.275
<b>158*</b>	0.003					<b>164*</b>	0.003		<b>136</b>	0.077	0.029
<b>162</b>	<u>0.133</u>	<u>0.417</u>				<b>166</b>		0.020			
<b>164</b>	0.401	0.427				<b>168</b>	0.390	0.090			
<b>166</b>	0.019	0.049				<b>170</b>	0.012	0.090			
<b>170*</b>	0.003					<b>172</b>	<u>0.031</u>	<u>0.220</u>			
<b>172*</b>	0.003					<b>174</b>	0.406	0.300			
<b>178*</b>	0.006					<b>176</b>	0.059	0.030			
<b>180</b>		0.029				<b>178</b>	0.012	0.010			
<b>182</b>	0.312	0.049									
<b>184</b>	0.015	0.010									
<b>186*</b>	0.006										
<b>196</b>	0.031										
<b>198*</b>	0.009										
<b>200*</b>	0.003										
MA19			MA51			MA21			MA13		
Alleles	I	B	Alleles	I	B	Alleles	I	B	Alleles	I	B
<b>110</b>	0.275	0.206	<b>59</b>	0.056	0.010	<b>105*</b>	0.003		<b>92</b>	0.065	
<b>121*</b>		0.010	<b>63</b>	0.150	0.165	<b>117</b>	0.009	0.050	<b>247</b>	0.914	1.000
<b>123</b>	0.722	0.725	<b>65</b>	0.140	0.144	<b>119</b>	0.071	0.130	<b>249</b>	0.022	
<b>125</b>	0.003	0.049	<b>67</b>	0.069	0.103	<b>121</b>	<u>0.419</u>	<u>0.130</u>			
<b>127*</b>		0.010	<b>69</b>	0.131	0.227	<b>123</b>	0.081	0.120			
			<b>70*</b>	0.003		<b>124*</b>		0.010			
			<b>71</b>	0.168	0.165	<b>125</b>	0.115	0.260			
			<b>73</b>	0.274	0.103	<b>127</b>	0.236	0.260			
			<b>75</b>	0.006	0.041	<b>129</b>	0.034	0.030			
			<b>77*</b>	0.003		<b>131</b>	0.006				
			<b>81*</b>		0.041	<b>135*</b>	0.003				
						<b>154*</b>	0.003				
						<b>156</b>	0.016				
						<b>158*</b>	0.003				
						<b>161*</b>		0.010			

Underscored values indicate alleles with relevant difference in frequency, \* Indicates private alleles for single populations.