

Table S1

Gene	Primer sequence (5'–3')	
	Forward primer	Reverse primer
RT–PCR analysis		
<i>UGT1</i>	GATAAGAATCCTCCAAAAGGCG	GGATGAATTGGTTCTGGTTCG
<i>UGT6</i>	TGTTTGCTGCTAAGCCTACCG	GCTTGGCACTATTGGCGTTC
<i>UGT7</i>	GTGGTGTTCCAAAATGCCATAG	CTGCATGATGGAGTTGAGCG
<i>UGT9</i>	CAGCGGATGTAGAAGTAGGCG	GAACGATGCCACCTCCTACAG
<i>UGT10</i>	GAATCTTCCGCCACATAAGAGG	CCATGGGCTTTAACGGTCTG
<i>UGT11</i>	GCTCGCGTACCATTACAAAGC	GCAGTTCTTTTTTCGTGCTC
<i>UGT13</i>	GGAATCCAGTGTTCCATCGTG	TCGGAATGAGTTGGAAAGCC
<i>UGT14</i>	CTCTGAACGCCCAATGATC	CTGGTAATTACGGATCCGAAGC
<i>UGT15</i>	GTTGCCTCTGAAAGTGTTGTGG	CTGCTGCAGGATTCCTTAAGTG
<i>UGT20</i>	TGTAATGAATTGGTCGTACCGG	TAGAATATCCTGCTGTGGCAGC
<i>UGT21</i>	CATCACCGCCATCTTACATACC	TTCGTCCCCTTCCACAAAAC
<i>UGT23</i>	GGATATTCCCCTTTCGGACAC	TACAATTCTGCATGGTAACTGCC
<i>UGT24</i>	CTAATGATAACGATGGGAGGCAC	TGTTACAGAATAAGGCGTAGGGC
<i>UGT28</i>	CATCTGAACCATTGCCAACG	CGCATTCTTCAACTCAACCTTC
<i>UGT30</i>	TCATGGATTTCAGCGGAGAATG	TCACTCGTTCTCGATACATCGG
<i>UGT32</i>	CTCTTGCGAACTTGGTCTTGG	AGGGCCTGGGTAAGTTCAAAC
<i>UGT33</i>	GGAAATCTCAAGCGTCTGTCTG	GATCCGGGATGCTTCTTCAC
<i>UGT34</i>	CAGCCCTGACCTTCAAAGAGAG	TTAATGTTGGCTGATCGTCCG
<i>UGT35</i>	TTGGAAATCCATCGCCTTTG	CTCCCCTTCCACAAAACCTTC
<i>UGT37</i>	CAACTCACCCATCCTGGAGTC	CCAGCAAATGAACACCTCCTC
<i>UGT40</i>	CCAGTCATAGCCACCAAATCG	ATTCCCAATGCGTCAACAGC
<i>UGT43</i>	GAACATTTACCCGGAAAACCTC	CCTGCAACTTTAAGGTGAGATCC
<i>UGT45</i>	TGGCAGAGGATTAGCAGAAGC	CGAAAAGTCATGTTGTGCGTG
<i>UGT47</i>	TGAAGTACCTTACAGGGTCCTGC	TCTAAGGGTGTATTCGATCCACC
<i>UGT49</i>	TCCTGCTCAAAGCGATTTTTTC	TCCAGGCAAATCTTCATCTTCC
<i>UGT50</i>	CTGGCAGAAGCAGGACATAATG	ACATATCCATGTCAGGTGGCG
<i>UGT51</i>	GGAAGTGTCTTTACGGGGTCAC	TGGAAGGGTGACACAAATTCC
<i>UGT52</i>	GTGTCAACATGCTTCTGTGCTG	TGGATGGTATGGGCTTCCTAC
<i>UGT54</i>	GCTTATCGCGACTTATGGAAGG	CCGGATTCAGTGAAGGATGTG
<i>UGT55</i>	GAGGGAGTTGTCTTTAAGGGGTC	TCGTGGAGAAAGGTAGAAGCAAG
<i>UGT56</i>	CATCACAGAAATCGACGTGAGG	CGCTGTAAACACCTCCATTCG
<i>UGT59</i>	TGGAATCCCATATGTCGTAGACC	ATAAGAGGACAGAGGCGACTGC
<i>RPS3</i>	GTCCGAAGATGGATACTCTGGTG	CAAAGGTTTCTTCGGTCCAGTC
qPCR analysis		
<i>UGT1</i>	TGAGGAGAACTATCAGGAG	GGCGTATCACATATTCTACC

<i>UGT2</i>	CATCTACATTGCCATCAGAC	CGTTGGGATGTGCTAATATG
<i>UGT3</i>	CACTTAGAGAGTTGCCATAC	CCACCCTGAGTAACAAATAC
<i>UGT4</i>	GAGACATAGAGGAGCTAACC	CTCTGTGAATGATGTGCTTG
<i>UGT5</i>	CTTGATGGAATCCTGAATGC	CGTTCGGATGAGCTAATATG
<i>UGT6</i>	GAGGGCGTTATCTATTTTAC	GTTTGATGTTAGGTGGTTGG
<i>UGT7</i>	CTATTTGTAACGCAAGGAGG	CTTCTAGCATGGCATTCTTC
<i>UGT8</i>	CATAACTCAATGCGGTAGTC	CTTCTTCGTGAGAGTGTTT
<i>UGT9</i>	CCTAAGGACAACTGAATGC	CGTGAGATATGAATGCCTTG
<i>UGT10</i>	CCAATCCGCCAGATATTTAC	TAGCATCGTCAAGGTATTCC
<i>UGT11</i>	GCGAATGGATACGGATTTAG	GCTCCCTTATGTCTGATTAC
<i>UGT12</i>	GTGCCTCTGATTGTTATACC	GCTAGTTCCGTTATTGACTC
<i>UGT13</i>	CAGGTATTGGACTTGATCTG	CATACATGAGGTTGGCTAAG
<i>UGT14</i>	GCTACAAGACTATTTGGACG	AGGTAAGTGTGAGAAGGTAC
<i>UGT15</i>	GGTGGACGGAATATGTAATC	GGCTAGAGAAACGAACTTTC
<i>UGT16</i>	GTATCTAATTACGGCGATGC	GTTGTTGAAGACAGTGGTAG
<i>UGT17</i>	GTAACAATCGGTGGTAACAG	CTGAGGTCTTTGCTCTTTAC
<i>UGT18</i>	CATTCTCTACAAGGCAATCC	CCAAAGTGTCTTCTTACGAG
<i>UGT19</i>	CGTCGATATGATGTTCTTGG	AGGCTGAAGTAGATGAATCC
<i>UGT20</i>	GGATGGATATGGAATCACTG	GGTGCCTAATTACAACTCC
<i>UGT21</i>	ATACTAGCCCATCCTAACAC	GACCATAACCATCCATAGTG
<i>UGT22</i>	GGATCAGAGGATGAATGTTG	GGTCTTACAGGTCTATCTCTC
<i>UGT23</i>	GTAATTCAGATAGGTGGTGC	GGTAACTGCCTAAATGTCTC
<i>UGT24</i>	CCTACGCCTTATTCTGTAAC	CATCCACTTGACCATTACTG
<i>UGT25</i>	ATTACAATCTACCGAGGAGG	CTCTGCCACTTCAATTATGG
<i>UGT26</i>	CGTAATGGATGTCACCTTAG	GGAGAATGTCATGTCTTGTC
<i>UGT27</i>	GAATGTGGCTAGATCAGTTG	TCTATCCAGAACATGGCTAC
<i>UGT28</i>	GAGGTCTACAGTCTATGGAG	GGTTCGTTTCACTTCCAG
<i>UGT29</i>	GAGGACTCCAATCTACTGAG	CTTCCTTGACAGAATCCTTG
<i>UGT30</i>	GAGTGAAAGAAATCGCTGAG	CCAACAGGAATGCTAATACG
<i>UGT31</i>	CCTTGGTCCTTGTTTCTATC	CTCATGTCTTCTGTGAACTG
<i>UGT32</i>	CGGAAATGCTAGTCTTGATC	ATATTACTCCTTCGGGTGAG
<i>UGT33</i>	GTTCCACAACACTTACTACC	CAACTTCTATAACACCAGGC
<i>UGT34</i>	GTAAACAGATGCCTGATACC	GGACATCTTGTTGAGGAATC
<i>RPL10</i>	GTGCGTCCATTTAGTATCAG	GTGAAGTCTCATTTCGGATG
<i>RPS3</i>	GGCTTGTTATGGTGTCTTG	TTCATGGACTTCGCTCTC
