

Supplementary Table S1. Mutations observed for each viral sequence. Each mutation from the Wuhan reference genome is indicated by a “•”.

| Patient ID | | | #1 | | | | #2 | | | | #3 | | | | #4 | | #5 | | | #6 | | | | | |
|----------------------------------|--------------------|---------------|----|----|----|----|----|----|----|----|----|----|----|----|----|----|----|----|----|----|----|----|----|----|----|
| Days after Bamlanivimab infusion | | | 2 | 4 | 6 | 7 | 3 | 5 | 6 | 7 | 9 | 1 | 2 | 3 | 12 | 3 | 14 | 15 | 19 | 26 | 0 | 3 | 5 | 7 | 23 |
| Ct values | | | 19 | 35 | 20 | 23 | 25 | 26 | 29 | 26 | 24 | 16 | 23 | 24 | 28 | 20 | 21 | 16 | 27 | 27 | 16 | 21 | 29 | 20 | 19 |
| Gene | Mutation | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | |
| | Nucleotide | Amino-acid | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | |
| | 913-C_T | S216S | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 1489-C_T | G408G | • | • | • | • | • | - | • | • | • | • | • | • | • | • | • | - | - | - | • | • | • | • | • |
| | 1730-G_A | E489K | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | - | - | - | • | • | • | • | • |
| | 2110-C_T | N615N | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | - | - | - | • | • | • | • | • |
| | 3037-C_T | F924F | • | • | • | • | - | - | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | - | • |
| | 3267-C_T | T1001I | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 3773-C_T | R1170C | - | - | - | - | - | - | • | - | • | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - |
| | 5388-C_A | A1708D | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 5986-C_T | F1907F | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 6954-T_C | I2230T | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 7184-A_G | I2307V | • | - | • | • | • | • | • | • | • | • | - | - | • | • | • | - | - | - | - | - | • | • | - |
| | 11288-GTCTGGTTTT_G | Del 3675-3677 | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 11565-C_T | P3767L | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | - | - | - | • | • | • | • | • |
| | 12895-A_C | E4210D | - | - | - | - | - | - | - | • | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - |
| ORF1b | 13899-T_G | D144E | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | • | • | • | - | - | - | - | - |
| | 14120-C_T | P218L | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | - | - | - | • | • | • | • | • |
| | 14277-G_A | R270R | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | • | • | • | - | - | - | - | - |
| | 14408-C_T | P314L | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 14676-C_T | P403P | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 15096-T_C | N543N | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | • | • | • | - | - | - | - | - |
| | 15279-C_T | H604H | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 15672-G_T | E735D | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | • | • | • | - | - | - | - | - |
| | 16176-T_C | T903T | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 16254-T_C | V929V | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | • | - | - | - | - | - |
| S | 21736-C_T | F58F | • | • | • | - | - | - | - | - | • | • | - | • | • | • | • | - | - | - | - | - | • | - | • |
| | 21765-ATACATG_A | Del 69-70 | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 21991-TTTA_T | Del 144 | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 23012-G_A | E484K | - | - | • | - | - | - | - | • | - | - | - | - | • | - | • | - | - | • | - | - | - | - | - |
| | 23013-A_C | E484A | - | - | - | - | - | - | • | - | • | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - |
| | 23040-A_G | Q493R | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | • | |
| | 23042-T_C | S494P | - | - | - | • | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - |
| | 23063-A_T | N501Y | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 23271-C_A | A570D | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 23403-A_G | D614G | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 23604-C_A | P681H | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 23709-C_T | T716I | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 24328-G_C | L922F | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | • | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - |
| | 24506-T_G | S982A | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 24914-G_C | D1118H | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 24919-C_T | N1119N | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | • | • | • | - | - | - | - | - |
| | 25352-G_T | V1264L | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | • | • | • | - | - | - | - | - |
| ORF3a | 25785-G_T | W131C | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | • | • | • | - | - | - | - | - |
| ORF7a | 27647-A_G | K85R | • | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - | - |
| ORF8 | 27972-C_T | Q27* | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 28048-G_T | R52I | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |
| | 28095-A_T | K68* | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • | • |

[illegible]