

Supplementary Table S2. PCR array results for autophagy-related genes upon AD80 exposure in PANC-1 cells.

Genes	AD80-treated PANC-1 cells			FC mean ¹	SD	p ²
	#1	#2	#3			
<i>SQSTM1</i>	0.71	0.67	0.78	0.72	0.06	0.001
<i>HSPA8</i>	0.64	0.85	0.76	0.75	0.11	0.016
<i>HSP90AA1</i>	0.93	0.73	0.82	0.83	0.10	0.038
<i>FADD</i>	0.79	0.95	0.75	0.83	0.10	0.048
<i>BID</i>	0.67	1.00	0.84	0.84	0.16	0.155
<i>RGS19</i>	0.94	0.86	0.75	0.85	0.10	0.056
<i>ATG3</i>	0.86	0.76	0.97	0.86	0.10	0.081
<i>ATG4A</i>	0.87	0.74	1.00	0.87	0.13	0.166
<i>BAD</i>	1.02	0.72	0.87	0.87	0.15	0.214
<i>BAX</i>	1.02	0.75	0.91	0.89	0.13	0.241
<i>NPC1</i>	1.15	0.70	1.04	0.97	0.23	0.813
<i>HDAC1</i>	1.00	0.99	0.92	0.97	0.05	0.283
<i>SNCA</i>	0.70	1.23	0.99	0.97	0.26	0.865
<i>NFKB1</i>	1.11	0.87	0.97	0.98	0.12	0.802
<i>CASP3</i>	0.94	1.04	0.97	0.98	0.05	0.596
<i>ATG7</i>	0.98	0.96	1.01	0.98	0.02	0.257
<i>CLN3</i>	1.28	0.85	0.85	0.99	0.25	0.957
<i>ATG5</i>	1.01	1.00	1.05	1.02	0.03	0.301
<i>ATG12</i>	0.86	1.12	1.09	1.02	0.14	0.791
<i>RB1</i>	1.03	1.05	1.01	1.03	0.02	0.041
<i>PTEN</i>	0.92	0.96	1.23	1.04	0.17	0.732
<i>BAK1</i>	1.19	0.79	1.17	1.05	0.22	0.700
<i>EIF4G1</i>	1.25	0.93	0.99	1.06	0.17	0.602
<i>TP53</i>	1.21	0.95	1.01	1.06	0.14	0.488
<i>ATG9B</i>	0.30	1.57	1.31	1.06	0.67	0.882
<i>BCL2L1</i>	1.28	0.98	0.98	1.08	0.18	0.476
<i>ATG4C</i>	1.06	0.98	1.22	1.08	0.12	0.299
<i>PRKAA1</i>	0.94	1.13	1.26	1.11	0.16	0.308
<i>HDAC6</i>	1.29	0.89	1.20	1.13	0.21	0.346
<i>MTOR</i>	1.03	1.06	1.31	1.13	0.16	0.214
<i>ULK1</i>	1.45	0.99	1.05	1.16	0.25	0.312
<i>AKT1</i>	1.36	1.01	1.13	1.17	0.18	0.180
<i>CASP8</i>	1.32	0.97	1.23	1.17	0.18	0.181
<i>MAPK8</i>	1.12	1.20	1.28	1.20	0.08	0.011
<i>CTSS</i>	1.01	1.90	0.70	1.20	0.63	0.606
<i>BNIP3</i>	1.05	0.98	1.59	1.21	0.33	0.341
<i>UVRAG</i>	1.56	0.98	1.13	1.23	0.30	0.264
<i>DRAM2</i>	1.21	1.14	1.34	1.23	0.10	0.018
<i>MAP1LC3B</i>	0.72	1.77	1.21	1.23	0.52	0.484
<i>GABARAP</i>	1.32	1.18	1.30	1.27	0.08	0.004
<i>ATG16L1</i>	1.36	1.07	1.39	1.27	0.18	0.056
<i>ESR1</i>	0.48	1.28	2.07	1.27	0.79	0.582
<i>HGS</i>	1.35	1.09	1.38	1.28	0.16	0.040
<i>BCL2</i>	2.42	0.61	0.81	1.28	0.99	0.653

<i>ULK2</i>	1.15	1.26	1.50	1.30	0.18	0.042
<i>AMBRA1</i>	1.39	1.19	1.33	1.30	0.10	0.007
<i>PIK3R4</i>	1.37	1.13	1.42	1.31	0.15	0.026
<i>ATG9A</i>	1.88	1.09	1.04	1.33	0.47	0.290
<i>GABARAPL2</i>	1.16	1.50	1.51	1.39	0.20	0.027
<i>TGFB1</i>	1.65	1.24	1.31	1.40	0.22	0.035
<i>CDKN1B</i>	1.39	1.25	1.57	1.40	0.16	0.012
<i>ATG4B</i>	1.34	1.34	1.57	1.42	0.13	0.006
<i>TMEM74</i>	1.12	1.99	1.14	1.42	0.50	0.221
<i>HTT</i>	1.80	1.30	1.26	1.45	0.30	0.058
<i>BECN1</i>	1.65	1.39	1.33	1.46	0.17	0.009
<i>ATG4D</i>	1.10	0.61	2.72	1.48	1.10	0.494
<i>DRAM1</i>	1.47	1.58	1.55	1.53	0.06	0.000
<i>RAB24</i>	1.57	1.36	1.75	1.56	0.20	0.008
<i>CTSB</i>	1.80	1.50	1.42	1.57	0.20	0.008
<i>EIF2AK3</i>	1.67	1.32	1.86	1.62	0.28	0.019
<i>GABARAPL1</i>	1.93	1.60	1.41	1.65	0.26	0.013
<i>TGM2</i>	1.72	1.35	2.06	1.71	0.36	0.026
<i>ATG10</i>	0.97	1.48	2.72	1.72	0.90	0.237
<i>APP</i>	2.07	1.53	1.66	1.75	0.28	0.010
<i>RPS6KB1</i>	1.57	1.33	2.68	1.86	0.72	0.106
<i>LAMP1</i>	2.42	1.54	1.78	1.91	0.46	0.026
<i>CTSD</i>	2.03	1.64	2.11	1.93	0.26	0.003
<i>FAS</i>	1.55	1.51	2.91	1.99	0.80	0.099
<i>PIK3C3</i>	2.04	1.60	2.52	2.05	0.46	0.017
<i>ATG16L2</i>	1.90	1.59	2.93	2.14	0.70	0.049
<i>MAPK14</i>	1.10	4.63	1.12	2.29	2.03	0.335
<i>WIP1</i>	2.86	2.96	2.23	2.68	0.39	0.002
<i>GAA</i>	3.45	2.69	2.71	2.95	0.43	0.002
<i>MAP1LC3A</i>	3.52	2.84	3.29	3.22	0.34	0.000
<i>IRGM</i>	3.83	5.04	3.96	4.28	0.67	0.001
<i>CXCR4</i>	7.99	2.62	3.40	4.67	2.90	0.093
<i>TNFSF10</i>	9.62	3.05	5.56	6.08	3.32	0.057
<i>CDKN2A</i>	ND	ND	ND	-	-	-
<i>DAPK1</i>	ND	ND	ND	-	-	-
<i>IFNG</i>	ND	ND	ND	-	-	-
<i>IGF1</i>	ND	ND	ND	-	-	-
<i>INS</i>	ND	ND	ND	-	-	-
<i>PIK3CG</i>	ND	ND	ND	-	-	-
<i>TNF</i>	ND	ND	ND	-	-	-

Abbreviation: FC. Fold-change; SD. standard deviation; ND. not detected.

¹Fold-change of vehicle-treated cells.

²Student *t* test.