

>full length genomic sequence (5'-3')

GAGTGAGGAGTCCCAAATTCTGCGATCGATATTTTCATTAATCTTTGGTTTGTTACTTT
TTAATATGCATTTTGTACGATCTATGATAAATGGTATTTAAATTCATAGAAGTTACCATTTT
TGTTTTAATTAGGTTTATTCTTAATACAAAATGACAAAAAATCCCATCTTACGACAGTGA
AATGACCTCTGGGCAATAATTTTATCCGTGGTTGTATaAGATCAAGTACGATAAGAATGT
TAATATAACAATTTCTTAATCTTTGCCACTTAAATATTATAGTGATATTTTTTTTCGAAATCA
TGGACGTGTAAAAGGAGATCGAGTTAATTATTCAGCGAGATATATAAAGTCTTGGATATT
TTTGTCTTGATGTCACTAAAGGTTTCTAGAATCCTGTAAGTTAATGGACACCGATTTTG
CGAGTTTATTGATATATAAAAGGTCTTGTTTCATATGGGTTGACTTGAAATCATGAAGTTA
ACATGAGAATGATATATGCTGACAAACAAAACATAAGAATGAGGTTTACCGGGAAAAA
GAAGTAAAAAAGAAATTAAGAATGAATCTCACTGGTCACATGAAACCGCATGAGTTT
GTTAACGGTAGAAGAAAAGAATGTAAAAGATGATAGTTATAAGTAGGTATAAGAACAG
CAGAAAAGGATAAATACGCTTTCATAAAGTTAGATGGTAACACACCGTATTGGTTGA
ATCGCTTTGTGTTCCGATTTGCTTTCATATGAAAGATATATGCTTTGATCGACAAAAT
ATTTTCTGCACGTTGTATCATTTTTTATCTTTTCGATCTTAAAATCGTGTGTATGGCTTAAG
CTACGCTCAGGCCCGGCCATGAAAACTCTAAGAAATAAGACGTATTGTATTTTTAAGC
TACGTTCTACACTAATGATTAATGAACACATCAAGACTAGAACGTCAATTTCTATATGT
AATAAGTCGCTAACTGCAGAAAATTTTAAGTCTATGTACTGAAATCTAAAAATAAACTA
TTTGAAATCTCTATATACATAAGATATATTTCAAAAAAAAAAAATCTCTATATACATTCAGC
ACGTGAAATGAGAAAGAAAAAGGACAATGATTGGGAAAAGGGATCAAATATGTACTTT
AAAAACACTTCTATTACATATTTTTGATATATTTATACACTGAAAATTTTAGTTAAATTTA
GACATTCGTGATATAAATATGAGTATGATAAGTGATAACTAAGACATTCGTGAAATAAGT
CACATTAGTTAACCTGTAATACTCGTTTCGTTTTATTGTAAATTGGACCATATTGTCAATC
ATTCTAATAAATCATATTAATTAATCCAATTAGTAAGTTTTAAAACTACATTAGATATATTG
CTATTGAAATCTATTGATATTACATTTAAAAAAAAAAAACTTGGACTATGTGAGGTCAAT
CCTGTAGTCCAACTAAAAACACAGTCAACATATGATGGTCACATTTCTTTAAATGGTT
CCGATTATGACCATCATATTTATTTTCAGTAAAAATTTTACCATAAAATAAACCTTAAAATC
AATGACTCATTAGTTCTCACTAATTTATTTTCTACTATGAAAGATACATAATTGGCAGTA
GATGACTATTTGTTCTTTAGATTTGTCCGAATCTTACAACCATGATAGATAGAGAAAGCT
TGGCCCCTAACATCGATCTCTCTCCAGCTTACAAAAGCCCTATAAATAGATGTCTTGTT
GCCTTTGGTATCAAACACCACTACAAATATCTCTCTTCCCTAAGCTCACTTAAAAACC
CACAGTTGTTTAGAAAGAGAAAGAAACCTTTACAAAATAAAAAATGGAGAATATGGGAA
CTAGAGTGATAGAGCCATTGATAGTGGGAAGAGTGGTCGGAGATGTTCTTGATAATTC
ACTCCAACAATTAATAATGAACGTGAGTTACAACAAGAAGCAAGTCTCCAATGGCCATG
AGTTTTTGCCTTTAGCTGTCTCCTCCAAGCCTAGGGTTGAGATACATGATGGTGATCTC
AGATCTTTCTTCAACCCTGGTATGTAAACATATGTTTAAATTATTTTAAATTATCAATAAT
GATAGGATTGCTGGTTGTATAGTTCTAATATCTTGTGCCAAAACATATCACTCAGTATCTT
TTCATCTCATAAGTCATTTATTTTCTGACTCCATGATGAAAAAGAGAGTCTGATCAATAA
TCTTATATATTGTACCTTTTAGTAAAATAGTATGATGCTGTTATGTACTTTGATCATTTTTT
TTTCTTTCTTCATTGAtGGTAATaGCAACTGAATTGCAAAACAGGTGATGACAGACCCT
GATGTTCCAAATCCTAGTGACCCCTTTCTAAAAGAACGCCTGCATTGGTACGTTCAAAT
TCTTGCCGTTTCATTTTCAGCCCATATCTCGGTCATATGTATTTCAATTGAATTATTAATAA
CCATCTCTACATTATTTTTTATAAACTTGAGTTGAGTTGGTCATAGTCTTCCATCACAGC
ACTAAATAATTGCATGTAAATATTTCAACAGGCTCGTCATGAACATCCCCGGCACAACA

(To be continued)

GATGCTACATTTGGTATGGGCTCGTCATGAATTTTGTGGTTTAAAATACTTACAATAAAA
 GATATATCCAAATAAGTATTAATAAATAATTGAACTGAAATTGTAGGAAAAGAGGTGGTG
 AGCTATGAGCTGCCAAAGCCAAACATAGGGATACACAGGTACGTTTTTGTTCGTTCAG
 GCAGAAGCAAAGACGTGTTAAGTTCCCAAGCAATATTATTTGAGGGATCAGTTC AAC
 ACTCGCGAATTTGCGATCGAGAATGATCTTGGTCTCCCTGTCGCGGCTGTCTTCTTCAA
 CGCTCAGAGAGAAACCGCATCTCGCAGACGTTAATTACGTCTATGTCCATCAAATGCAT
 AAAAAATGATAACATGTTTATCTCTGTTCTTAATTATCCATGTTTATTTCTGTTCTAAAT
 CCCGTATTTTAAATAAATAATTGTTTTCGTATATATATTTAATCTCATTATAGGAGATTAAAT
 TCCCGTATTTTATTTCTGTTCTAAACCTTATATATGTCTCGATAGGTCAAATCGAGTTAA
 TCTCATTATATGATATATGATACATGGAAAACAGAAAAACAAAATTGTAAACAAACAAA
 AATAGTTCTGGTCAAAGTGACAAGACCTTGGTGACCACCTATAATAGGACGCTCCTTCT
 CACTCGGCGATCCGAATATTATCAGTTATCATTATGTCTAGCTATCTTTCTCACATGTTCA
 GTGTTTGGTATTGTATAGAAATACGTTGCGGCTCCCTAAATGCTAGTACACCAAACCTGT
 GTATCTTTTGAGAAAATGTAAATATATAGTGAATAAATCTAGCTAGTGTTCTACTACAATT
 GCTTTTCTTTGAGTATGA

Figure S2: The 3437 bp genomic fragment incorporating the BraA10.TFL1 gene. The yellow background shows the 1842 bp of the gene upstream, the grey background shows the 1066 bp of the gene coding region, and the green background shows the 529 bp of the gene downstream.