

Input Sample	B cells naive		B cells memory		Plasma cells		T cells CD8 naive		T cells CD4 memory resting		T cells CD4 T cells memory activated		T cells follicular helper		T cells regulatory (Tregs)		T cells gamma delta		NK cells resting		NK cells activated		Monocytes		Macrophages M0		Macrophages M1		Macrophages M2		Dendritic cells resting		Dendritic cells activated		Mast cells resting		Mast cells activated		Eosinophils		Neutrophils		P-value		Pearson Correlation		RMSE	
	0.012	0	0	0.025	0.056	0	0.225	0.012	0	0.011	0.007	0	0.035	0.032	0.054	0.268	0	0.009	0.113	0	0	0.047	0.020	0.247	0.983																							
GSMT3290067	0.012	0	0	0.025	0.056	0	0.225	0.012	0	0.011	0.007	0	0.035	0.032	0.054	0.268	0	0.009	0.113	0	0	0.047	0.020	0.247	0.983																							
GSMT3290068	0.008	0.019	0.024	0.055	0	0.230	0.019	0	0	0	0.043	0	0.058	0.015	0	0.268	0	0.042	0.153	0	0	0	0.010	0.307	0.955																							
GSMT3290069	0.003	0.005	0.026	0.041	0	0.099	0.006	0	0	0	0.036	0.001	0.065	0.261	0.003	0.236	0	0.063	0.137	0	0	0.017	0.010	0.297	0.968																							
GSMT3290070	0.011	0.013	0.027	0.092	0	0.183	0	0	0	0	0	0.016	0.025	0.181	0.005	0.235	0	0.024	0.159	0	0.003	0.028	0.020	0.281	0.970																							
GSMT3290072	0.056	0	0.017	0.092	0	0.172	0.006	0	0	0	0.045	0	0.075	0	0.017	0.292	0	0.081	0.083	0	0	0	0.064	0.000	0.347	0.938																						
GSMT3290074	0.008	0.04	0.012	0.03	0	0.176	0.008	0	0	0.117	0	0	0.035	0.09	0.074	0.211	0	0.03	0.089	0	0	0	0.008	0.000	0.320	0.951																						
GSMT3290075	0.026	0	0.024	0.015	0	0.181	0	0	0	0	0	0.004	0.021	0.071	0	0.226	0	0.092	0.111	0	0	0	0.005	0.020	0.275	0.976																						
GSMT3290077	0.002	0	0.022	0.036	0	0.127	0.01	0	0	0.045	0.023	0	0.038	0.165	0.006	0.171	0	0.111	0.138	0	0	0	0.106	0.000	0.317	0.954																						
GSMT3290082	0.002	0	0.019	0.038	0	0.128	0	0	0	0	0.020	0.054	0	0.027	0.127	0	0.202	0	0.143	0.116	0	0	0	0.019	0.000	0.338	0.945																					
GSMT3290084	0.011	0.004	0.016	0.054	0	0.214	0.002	0	0	0	0	0	0.025	0.047	0	0.248	0	0.186	0.159	0	0.008	0.025	0.000	0.375	0.927																							
GSMT3290089	0.016	0.02	0.031	0.128	0	0.251	0	0	0	0	0.01	0	0	0.041	0	0.196	0	0.082	0.126	0	0.008	0.012	0.000	0.391	0.920																							
GSMT3290095	0.021	0	0.032	0	0	0.222	0.01	0	0	0.08	0	0	0	0.038	0.016	0	0.187	0	0.119	0.187	0	0.003	0.086	0.000	0.324	0.948																						
GSMT3290099	0.019	0.018	0.041	0.037	0	0.235	0	0.024	0	0	0.062	0.04	0.053	0.016	0.015	0.163	0	0.13	0.098	0	0.001	0.047	0.000	0.387	0.921																							
GSMT3291013	0.023	0	0.021	0.026	0	0.21	0	0	0	0	0.028	0	0.028	0.035	0	0.219	0	0.118	0.198	0	0	0	0.034	0.020	0.262	0.974																						
GSMT3291015	0.006	0	0.022	0.028	0	0.273	0.012	0	0	0.018	0.006	0	0.029	0.06	0.008	0.274	0	0.034	0.111	0	0	0	0.119	0.010	0.307	0.957																						
GSMT3291016	0.035	0	0.022	0.029	0	0.153	0	0	0	0	0.026	0.004	0.021	0.019	0.004	0.272	0	0.094	0.233	0	0	0	0.036	0.000	0.356	0.936																						
GSMT3291017	0.009	0.005	0.02	0.037	0	0.244	0	0.012	0	0	0.002	0.054	0	0.056	0	0.053	0.271	0	0.053	0.169	0	0	0	0.016	0.010	0.301	0.958																					
GSMT3291018	0	0.013	0.064	0.03	0	0.227	0	0	0	0.046	0.002	0	0.015	0.074	0.027	0.278	0	0.055	0.125	0	0.001	0.044	0.010	0.294	0.961																							
GSMT3291019	0	0	0.008	0.03	0	0.105	0.015	0.016	0	0	0.172	0	0	0.066	0.075	0.156	0.004	0	0.04	0	0	0	0.004	0.000	0.371	0.939																						
GSMT3291013	0	0.091	0.092	0.136	0	0.124	0.025	0	0	0	0.082	0	0	0.122	0.064	0.155	0	0.044	0.052	0	0	0	0.013	0.000	0.359	0.934																						
GSMT3291016	0.065	0	0.033	0.048	0	0.192	0.006	0	0	0.028	0.013	0	0.019	0.13	0.062	0.226	0	0.061	0.107	0	0	0	0.011	0.020	0.289	0.963																						
GSMT3291016	0.034	0	0.042	0.006	0	0.24	0	0	0	0.05	0.014	0	0	0.075	0.061	0.204	0	0.058	0.129	0	0	0	0.087	0.020	0.242	0.982																						
GSMT3291017	0.009	0.004	0.021	0	0	0.12	0.004	0.002	0	0	0.037	0	0	0.126	0.037	0	0.138	0	0.225	0.148	0	0	0	0.078	0.000	0.385	0.924																					
GSMT3291018	0	0.099	0.014	0.022	0	0.135	0.007	0.002	0	0.054	0	0	0.003	0.011	0.026	0.224	0	0.076	0.113	0	0.004	0	0	0	0.000	0.369	0.931																					
GSMT3291019	0	0.007	0.014	0.04	0	0.157	0	0	0	0.015	0.029	0	0.028	0.068	0.009	0.266	0	0.108	0.211	0	0	0	0.048	0.020	0.254	0.980																						
GSMT3291016	0.011	0.001	0.028	0.057	0	0.29	0	0	0	0	0.021	0	0.062	0	0	0.248	0	0.038	0.179	0	0.004	0.058	0.020	0.277	0.968																							
GSMT3291017	0.039	0	0.024	0.085	0	0.257	0	0	0	0	0.011	0	0.042	0	0	0.001	0.218	0	0.035	0.254	0	0	0	0.033	0.020	0.247	0.982																					
GSMT3291018	0.029	0	0.02	0.031	0	0.31	0	0	0	0	0.013	0.032	0.05	0.004	0.065	0.248	0	0.028	0.119	0	0	0	0.051	0.010	0.302	0.957																						
GSMT3291010	0.016	0.016	0.024	0.054	0	0.251	0	0	0	0	0	0	0.029	0	0.03	0.223	0.003	0.019	0.247	0	0	0	0.008	0.000	0.337	0.944																						
GSMT3291013	0.02	0	0.017	0.024	0	0.151	0	0	0	0.012	0	0.013	0.127	0.02	0.274	0	0.151	0.098	0	0.008	0.046	0.010	0.292	0.968																								
GSMT3291015	0	0.005	0.01	0.013	0	0.14	0	0	0	0.006	0.037	0	0.192	0.111	0.012	0.223	0	0.081	0.078	0	0	0	0.092	0.000	0.421	0.907																						
GSMT3291018	0.017	0.003	0.032	0.083	0	0.197	0	0	0	0.018	0	0	0.064	0.113	0	0.247	0	0.049	0.148	0	0.006	0.024	0.020	0.288	0.964																							
GSMT32910083	0.007	0.04	0.005	0.01	0.008	0.158	0.041	0	0	0.017	0.043	0	0.248	0.045	0.09	0.165	0	0.002	0.014	0	0	0	0.106	0.000	0.396	0.919																						
GSMT32910085	0.015	0	0.025	0.064	0	0.317	0	0	0	0	0	0	0.156	0	0	0.235	0	0.009	0.127	0	0	0	0.058	0.000	0.353	0.937																						
GSMT32910086	0.062	0	0.028	0.031	0	0.159	0	0	0	0	0.064	0	0.09	0.097	0	0.209	0	0.082	0.029	0.021	0.015	0.115	0.020	0.253	0.980																							
GSMT32910088	0	0.012	0.011	0.05	0	0.079	0.011	0	0	0	0.024	0	0.03	0.248	0	0.267	0	0.07	0.011	0.045	0.008	0.137	0.010	0.312	0.970																							
GSMT3290091	0.021	0	0.043	0.016	0	0.198	0	0	0	0	0.017	0	0.027	0.097	0	0.223	0	0.085	0.162	0	0	0	0.112	0.000	0.336	0.944																						
GSMT3290092	0.019	0	0.026	0.02	0	0.147	0.011	0	0	0.002	0.038	0	0.112	0.109	0.004	0.275	0	0.017	0.094	0	0	0	0.079	0.000	0.422	0.906																						
GSMT3290093	0.017	0	0.035	0.013	0	0.161	0	0	0	0	0.029	0	0.131	0.076	0.001	0.215	0	0.019	0.133	0	0	0	0.073	0.000	0.337	0.945																						
GSMT3290094	0.001	0.008	0.025	0.017	0	0.169	0	0	0	0	0	0.019	0	0.117	0	0.254	0	0.096	0.154	0	0	0	0.139	0.000	0.349	0.940																						
GSMT3290097	0	0.002	0.053	0.012	0	0.217	0	0	0	0	0.032	0.006	0.052	0.069	0	0.123	0	0.172	0.13	0	0.023	0.108	0.000	0.317	0.951																							
GSMT3290098	0.032	0	0.015	0.024	0.001	0.118	0	0	0	0	0.016	0.007	0.099	0.178	0	0.082	0	0.217	0.038	0	0.01	0.163	0.000	0.424	0.907																							
GSMT3291010	0.02	0	0.016	0.029	0.062	0.152	0.019	0	0	0	0.028	0	0.109	0.063	0	0.235	0	0.017	0.096	0	0	0	0.152	0.000	0.402	0.915																						
GSMT3291011	0.008	0	0.021	0.018	0	0.195	0	0	0	0	0	0.015	0.137	0.073	0	0.209	0	0.077	0.155	0	0	0	0.092	0.000	0.399	0.916																						