

Text S2. cDNA sequences of genes for VIGS in red pitaya.

CYP76AD1

> HU03G00480.1-R

ATGGATAGCCCAACCCTCTCGCTTTTCATCTTTGCCTCAATCTTTTACTTCATAACTTTTCA
AATTGTGAAGCTAGGGTTTAATGTGGTCATGACCTCTAAAAAAACCAAAGAAGAAGAC
CCCCCTTACCTCCGGGGCCCCAAGCCATTGCCCATCATAGGCAATGTGCTCGAGCTCGGGC
CGAAGCCACACCGCTCGTTCGCCGACCTAGCCAAGGTCCATGGTCCACTCATGTCCCTC
CGGCTAGGTAGTGTGACCACGATTATCGTGTTCATCCTCTGATGTTGCCAAAGAAATGTTT
CTTAAAAATGACCAACCCTTGAGCTCCAGCCGAACCATACCCAACTCAGTCACGGCTGG
GGATCACCACATGCTGACCATGTCTTGGCTCCCAGTCTCCCCCAAATGGCGGAGTTTTAG
GAAGATCACCACCTTCCACCTTCTCTCCCCCAGCGCCTCGATGCTTGCTCTAGCCTTAG
GCAAGCCAAGGTGCAGCAGCTATTCGAGTACGTTCTGGAATGTTCTAGAACCGGCCAGG
CCGTCGATATAGGCAAGGCTGCTTTCACGACGTCCCTTAACTTGTTGTCCAAGCTGTTTT
TTTCTTTAGAGTTGGCTCACCATAGATCTAGCAAGTCTCAAGAGTTTAAGGACTTAATTT
GGGATATTATGGAGGATATTGGGAAGCCTAATTACGCGGATTATTTCCCATGCTTAAAGTA
CTTTGACCCATGTGGAATACGACGTCGTTTGGCAAATAGTTTTGAGAAATTAATTGAGGT
CTTTCAAGGTATTATTCGTCAAAGGCTATCCCTGTCATCTGGCTCTCATACTCATAATGAT
GTGTTAGATGTTCTTCTTCAATTGTACAACCAAGAGGAACTCACCATGGACGAGATAAA
CCATCTGCTCGTGGATATATTTGATGCCGGAACAGACACCACTTCCAGTACATTTGAATG
GGCCATGGCTGAGTTAATTAATAATCCGACGATGATGGAGAAAGCTCAAGCTGAAATCA
AAGTGGTTCTTGGGAAACAGTCGCATATTCAAGAGTCCGATATCCCAAATGTCCTTATT
TGCGGGCAATTATCAAAGAAACATTGCGTCTACACCCTCCTACTGTATTCCTCCTACCTC
GTAAGGCTGAGACCGATGTGGAACCTCTATGGCTACACCGTACCAAAAAATGCACAAATA
CTGGTGAACCTGTGGGCCTTAGGTGCGAGACCCCAAAGTTTGGGAAAACCCAGAGGTGT
TCTTACCTGAAAGGTTCTGACTTGCGACATCGATGTTAAAGGAAGAGATTTTGGACTAC
TGCCTTTTGGGGCAGGAAGGCGAATATGTCCTGGGATGAATTTGGCGTACAGAATGCTG
ACCTTAATGCTCGCTACGCTTCTACAATCGTTTGATTGGAAACTCCCAAATGAGATGAAC
TCCAAGAATTTGGACATGGATGAAAAGTTTGGGAATAGCATTGCAAAAGACTAAACCCCT
TGAAATTATTCCCGTTTGCAAGGATTGA

DOD α

> HU03G01342.1-R

ATGGGTGTTGGCAAAGAAGTGTCGTTCAAGGAGACTTTCTATGTGTCTCATGGGAATCC
GGCCATGTTGGCCGATGTGTCGTTCATAGCACGGAACCTCCTGCTGGGGTGGAAGACGA
ATGTCTTCCCCATCAAACCCAAGTCGATCCTGGTTGTCTCTGCTCACTGGGAGACTGATG
TGCCTTCTGTATCTGCCGGTGAACATCCTGATGTCATTTACGATTTCAGCGATGTTCCCTGA
CTGTATGTTCCAGATGAAGTACCCAGCTCTAGGGTCACCAAACTGGCCAAAAGGGTG
AGGAGCTACTGATAGCAGGAGGGTTCAAGACAGCGAGCCTAGACGAGAGTCGTGGGT
CGACCACAGCTCATGGGTGCCCCTGAGCCTCATGTACCCTGAGGCTGACATCCCGGTGT
GCCAGCTCTCAGTCCAGCCTCACCTAAGCGCGAGCCACCACTTCGACATAGGGAGGGCT
TTGGCTCCTCTCAAGGAGGAAGGGGTCCTGTTTATTGGGTCTGGGGGTGCAGTGCACCC
TTCTGATGACACCCACACTGGTCTGATGGGGTTGCCCCTTGGGCTGCTGAGTTTGATCA
ATGGCTTGAGGATGCTCTCATTAATGGAAGGTACGATGATGTGAATAATTATCAAACAAA
AGCACCTTCTGGGTGGAAAATAGCACATCCAATTCCAGAACACTTTTTACCGTTGCATGT
AGCCATGGGTGCAGCTGGTGAAAAATCAAAGGCAGAGCTCATTTATCGTACGTGGGATC
ATGGTACTCTTGGCTATGCCTCCTACAAGTTCACCTTCCATCTGA

> HU03G01342.1-W

ATGGGTGTTGGCAAAGAAGTGTCGTTCAAGGAGACTTTCTATGTGTCTCATGGGAATCC
GGCCATGTTGGCCGATGTGTCGTTCATAGCGCGGAACCTCCTGCTGGGGTGGAAGAAGA
ATGTCTTCCCCATCAAACCCAAGTCGATCCTGGTTGTCTCTGCTCACTGGGAGACTGATG
TGCCTTCTGTATCTGCCGGTGAACATCCTGATGTCATTTACGATTTCAGCGATGTTCCCTGA
CTGCATGTTCCAGATGAAGTACCCAGCTCCAGGGTCACCAAACTGGCCAAAAGAGTG
CAGGAGCTACTGATAGCAGGAGGGTTCAAGACAGCGAGCCTAGACGAGAGTCGTGGGT
TCGACCACAGCTCATGGGTGCCCCTGAGCCTCATGTACCCTGAGGCTGACATCCCGGTG
TGCCAGCTCTCAGTCCAGCCTCACCTAAGCGCGAGCCACCACTTCGACGTAGGGAGGG

CTTTGGCTCCTCTCAAGGAGGAAGGGGTCTGTTCATTGGGTCTGGGGGTGCAGTGCAC
CCTTCTGATGACACCCACACTGGTTTGTATGGGGTCGCCCCTTGGGCTGCTGAGTTTGAT
CAATGGCTTGAGGATGCTCTCATTAATGGAAGGTACGATGATGTGAATAATTATCAAACA
AAAGCACCTTCTGGGTGGAAAATAGCACATCCAATTCCAGAACACTTTTTACCGTTGCAT
GTAGCCATGGGTGCAGCTGGTGAAAAATCAAAGGCAGAGCTCATTTATCGTACGTGGGA
TCATGGTACTCTTGGCTATGCCTCCTACAAGTTCACCTCCATCTGA

>HU08G01572.1-R

ATGCTTCAGCAACTAATTAGTGGATGGCAGAGATTGGGCATTGGCTGTCCTTATCTTGATT
ATAAGTATCTCGTGACAGGCAGAGAAGTGGGTACACTTCTAATAGCTTCTAAGATCAAA
ACAAGAGAAAACTAAATTTTCATTTGCACCAGCAAAATGGGTGAGCAGGAAGCAATTA
GGGAGACATTCTACATATCTCATGGGACACCAAAGATGTCGATCGATGATTCTATAGCAG
CAAAGAAGTTCTTTTCAGGAATGGGAGAAAGTCTACTCCAAGAGGCCAAAGTCTATGCTT
GTGATCTCTGCTCACTGGGAGACTGATGTGCCTGCTGTTAATGCTGTTACTCACTCTGAT
CTCATCTATGATTTTCAGGGGCTTTCCTGCCATCATGTACCAGCTCAAGTACCCAGCTCCTG
GTGCACCAGATTTGGCAAGGAGGGTAGAGGAACTTCTGACAGCATCAGGGTTCAGCTG
TGTTGTAGACAAGAAGCGCGGTCTTGATCATGGCTCATGGGTGCCTCTCATGCTCATGTA
CCCGGAGGCTGATATCCCGTTTGCCAGCTCTCAGTGCAATCACACCTAGATGGAACGC
ACCACTATAACTTGGGAAAGGCTTTGGCTCCTCTTAAGGAGGAAGGTGTCCTTATCATTG
GTTCTGGGAGTGCTGTTCAACCCTTCAAATAGTACTCCTATTTCTCTTGATGGAGTTGCTCC
TTGGGCTGCAGCGTTCGATTCCTGGCTAGAAGAAGCTCTCAAAGTGGAAGGTATGAAG
ATGTGAACAATTATCAAGCAAAGGCACCAAAGTGGGAACTGGCACACCCATGGCCAGA
GCACTTTTACCCATTACATGTAGCCATGGGTGCAGCTGGTGAAAACCTCGAAGGCCGAGC
TTATTCATCGCAGtTGGGACCATGGCACCCCTTGGCTATGCCTCCTACATATTCACCTCCTGC
TGA

B5GT

> HU01G00156.1-R

ATGAACATGGCTGCTGAAGATCAACAGCTTCATGTAGTGTTCTTCCCCTTCTTGGCCCAT
GGCCATATGATTCCGACCCTCGATGTTGTAAGGCTCTTTGCATGTCATGGGGTCAGGGTC

ACCATCATCACCACCCCTCTGAACGCCCACATCTTCAATAAGGCTGTTGAGACGGCTAC
GAAAATGGGTGCCCCGGGTCGTTGATGTTGAGCTATTCAGGTTCCCTGCCGAAGAAGCAG
GCCTGCCAGAAGGATTTGAGAACTTAGAGCTAGTTAAGGAGGATGACATGATTGTTAAG
TTCATCGCTGCCAGTGAGCTGCTCAGAGAGCAGCTTGAGCCATACTTGGAGAAGACACG
ACCGAACTGCCTCGTTGCTGACATGTTTTTTCCATGGGCAACGGAGTGTGCAGCCAAGT
TCGACATCCCTAGGCTAGTCTTCCATGGCACTAACTTCTTTTACTTGTGTGCTTCGGAGAT
TATCAGGCTATATGAGCCTTATAAGAATGTCTCTTCGGATGAGGAGCCATTCGCTCTTCCG
TCCCTTCCACATGAGATACAGATGACAAGACTGCAGCTACCAGAGGATCTATGGAAGTA
CGAGGAATCCGATTTCAAAGGAGGATAGCACTAATCCACGAATCGGAGGTTGCAAGCT
ATGGGGTGATCGTCAACAGCTTTTATGAGTTGGAACCGGATTATGCAGATTTCTTCGGGA
AGGAATTAGGAAGGAGGGCATGGCATATAGGCCCAGCTTTACTCTGCAATAGGAGTACC
AAGAACAAAGCTCAGAGGTTGAAACAACCCGATCTAGATGAACACGAGTGCCTGAAGT
GGCTTA ACTCAAGGAAGCCCACTCAGTCATTTACATCTGTTTCGGAAGCACTGCACAT
GTGATTGGCCCTCAGCTACATGAGATAGCAGTGGCTTTGGAAGCGTCAGAACAAAGCGTT
CATTTGGGTAGTGAAGAATGAGGATTACGAAAAGAGTGCAGAGTGGTTGCCACAGTG
TTTGAGGAGCGGTTGGAACAACGAGGTCTAATTATAAAAGGGTGGGCTCCTCAGGTGCT
TATTTTAGAGCATGAAGCTATAGGAGCATTTGTGACCCACTGTGGATGGAACCTCGATCTT
AGAAGGGATCTCGGCTGGGGTGCCAGTGGTTACATGGCCTGTTTTTGCTGAGCAGTTCT
ATAACGAAAGGTTCTGTGACTCAGATTTTGAAGATTGGGGTGCCATTGGATCTAAGAAG
TGGGGTATTGTGACTACTACAGAGTACATGGTGAAACGGGACTCTATAGAGAAGGCATT
GAGAGAAATCATGGTAGGAGAGGAAGCTGAGGAGAGGAGAAACAGAGCACAGAAGTT
GAAGGCGATGGCATGGAAGGCTGTCTGAAGAAGGGGGTTCATCTTATTCTGATCTAAGTG
CACTAATAAATGAGCTTAGGGTTTATCGCACTTAA

cDOPA5GT

>HU07G00240.1-R

ATGGACTCTGCAACAGAGCATATACTGATGCTCCCATACATGGCGCAGGGTCACATTCGC
CCGTTTCATCGAGCTAGCCCACCGCCTCCAAGCCCGAACTGAAACCAGAACCCGAACCC
ACTTCACCATCACCATCCTCACCACCCCTCTCAACGCTGAGCTCATCCGACGCCAATTCA

CCACCACCTCCACCATCCAAATTGCCGAGCTCCCCTTCAACGCCGCCGACCATGGCCTC
CCTGCTGGCGTCGAGAACACCGACAAGCTCCCGTTCCCCCTCGTCGTCAACCTCTTCCA
CGCCTCCTCCTCGCTTGAACCCACCTCCGCCACTTCATCGCCACCCGCTTCTCCCCCTG
TAAACCCCTCTCTGCATTGTCTTCGACGTCTTCCTGGGATGGGTTGACGCCGTCGCTAG
GAGCTTTGGATCCACCGGAGTCGCCTTACCACCGGCGGCGCGTATGGGACGGCGGCGT
ATTGTCACTGTGGCTTGATCTACCTCACCGAACTTCTCAGACGATGAGGACTTCCCTT
TGCCTGGATTCCCGGAGAACCACCGCTATCGCCGCTCCCAGCTCCACCGGTTCTTAAGAT
ACGCTGATGGGTCGGATCAGTGGTCGCGGTTTTTCCAGCCCCAGCTGCGGTTCTCAATT
GGTAGCCTCGGATGGCTCTGTAATCCGTCGAGGAGATTGAGCCTCTGGGGTTTGAAATT
CTTCGGAATTACCTCAAATCACCGGTCTGGGCAGTCGGGCCGTTGATTCCGGATCCTCCG
CCGGTGGATAAATCATCATCTTCTTGTGACAAATGCATCCAGTGGTTAAATTCCCACAAA
GCCGATTCCGTTTTATACATCTCATTCCGGTCGCAGAATACGATTTCCCCGACCCAGATGA
TGGAGCTGGCTATGGGTTTAGAGCTAAGTGGGAAGCCATTTTTGTGGGTGATCCGGCCT
CCGTTCCGGTTCGACATCAACGGAGAATTCCGACTCGAATGGCTTCCGGATGGGTTCGA
GGAGCGCGTGAAGAACAACAACCAGGGGATGTTGGTGCATAAATGGGGGCCTCAAATG
GAGATACTGGGTCATGAATCAACGGGTGGGTTTCTCAGCCATTGTGGGTGGAACCTCGGT
GTTGGAAGGACTGAGAGAGGGACTACCGATGATAGCGTGGCCATTGGCTGGGGAGCAG
GCGTACAATTGAAGATGCTGGTGGAGGAGATGGCGGTGGCAGTGGAGCTGACGACGG
GGTTGGAAGGGAAGGTGACTAAGGAGGCGGTGAAGAGGGTGGTGGAGCTGGTGTGG
GGAGAGAGGAAGGGAGTGGTGGCGAGGAGATGAAGAAGAAGGCGGTTGAAGCAGGG
AAGAAGCTTAGAGATGCATTAAGAGAAGAGGAAGATGGGTTAGGGTTTAAGGGATCTTC
GATTAAAGCAATGGATGAGTTTTTGGATGCCATAGTTTCCGGCAGGGATCGACCAGCTGC
TTGA