

Table S3. The SYBR green primers for qRT-PCR

	<i>Gene</i>	Forward sequence	Reverse sequence
KEEG Cytokine-cytokine interaction	<i>TNFRSF19</i>	GGTGCATTCTGCAGCCAGTCTT	CAGGCATCTGAAAACTCGCCAC
	<i>IL6</i>	AGACAGCCACTCACCTCTTCAG	TTCTGCCAGTGCCCTTTTGCTG
	<i>BMP5</i>	CTCTCATCAGGACTCCTCCAGA	GGAAGCTCACATAGAGTTCGTGC
	<i>CXCL1</i>	AGCTTGCCTCAATCCTGCATCC	TCCTTCAGGAACAGCCACCAGT
	<i>CXCL3</i>	TTCACCTCAAGAACATCCAAAGTG	TTCTTCCCATTCTTGAGTGTGGC
	<i>CXCL8</i>	GAGAGTGATTGAGAGTGGACCAC	CACAACCCTCTGCACCCAGTTT
	<i>CCL2</i>	AGAATCACCAGCAGCAAGTGTC	TCCTGAACCCACTTCTGCTTGG
	<i>CXCL2</i>	GGCAGAAAGCTTGTCTCAACCC	CTCCTTCAGGAACAGCCACCAA
	<i>CXCL5</i>	CAGACCACGCAAGGAGTTCATC	TTCCTTCCCGTTCTTCAGGGAG
	<i>BMP7</i>	GAGGTGTCCTTCCCTCTGAACT	AGGACGGAGATGGCATTGAGCT
	<i>CD70</i>	TTCGCACAGGCTCAGCAGCAG	TTGTCCAGCTCTGGTCCATGCA
	<i>CCL26</i>	GGGAGTGACATATCCAAGACCTG	CAGACTTTCTTGCCCTTTTGGTA
GO Cell adhesion	<i>COL15A1</i>	GGTGACACTGGTTTACCTGGCT	GCCTTTCAGAGGAATGTCCTC
	<i>LAMA4</i>	GAGATGACTCTCTGCTGGACCT	AGTTCAGGCAGCCAACAAAGC
	<i>TNC</i>	ATGTCCTCCTGACAGCCGAGAA	AGTCACGGTGAGGTTTTCCAGC
	<i>EPHA4</i>	ACCAAGCAGTGCGAGAGTTTGC	CTCTCTTGCCAGGCACTTTGAG
	<i>ADAM12</i>	ATGGCATCTGCCAGACTCACGA	GGAACCTTCGAGACTTTGCCAC
	<i>ITGA4</i>	GCATACAGGTGTCCAGCAGAGA	AGGACCAAGGTGGTAAGCAGCT
	<i>VCAM1</i>	GATTCTGTGCCCACAGTAAGGC	TGGTCACAGAGCCACCTTCTTG
	<i>PCDH10</i>	TCTCCAACGGAAGCATTTTGTCC	CTATGTCGGCTTCTGGAATGC
	<i>NID2</i>	GAGCTGTACCACTACTCCGACT	TGTTCTGGTGGATGCGGTAGGA
	<i>POSTN</i>	CAGCAAACCACCTTCACGGATC	TTAAGGAGGCGCTGAACCATGC
	<i>ADGRE1</i>	TGTGACGTTGGACTTGGTAGCC	GGAGACAAAAGCCACACCAGTG
	<i>ICAM1</i>	AGCGGCTGACGTGTGCAGTAAT	TCTGAGACCTCTGGCTTCGTCA
	<i>MCAM</i>	ATCGCTGCTGAGTGAACCACAG	CTACTCTCTGCCTCACAGGTCA
	<i>KITLG</i>	CTGGAGACTCCAGCCTACACTG	CTGCCCTTGTAAAGACTTGGCTG
	<i>LGALS3BP</i>	GGCAGCAATGTCACCATGAGTG	GTGGAAGCACTTGACTGACGAC
Migration / Invasion	<i>N-Cadherin</i>	CCTCCAGAGTTTACTGCCATGAC	GTAGGATCTCCGCCACTGATTC
	<i>MMP2</i>	AGCGAGTGGATGCCGCTTTAA	CATTCCAGGCATCTGCGATGAG
	<i>MMP9</i>	GCCACTACTGTGCCTTTGAGTC	CCCTCAGAGAATCGCCAGTACT
	<i>α-SMA</i>	CTATGCCTCTGGACGCACAAC	CAGATCCAGACGCATGATGGCA
	<i>Vimentin</i>	AGGCAAAGCAGGAGTCCACTGA	ATCTGGCGTTCCAGGGACTCAT
	<i>Slug</i>	ATCTGCGGCAAGGCGTTTTCCA	GAGCCCTCAGATTTGACCTGTC
Cell cycle	<i>p21</i>	AGGTGGACCTGGAGACTCTCAG	TCCTCTTGAGAAGATCAGCCG
	<i>CDK2</i>	ATGGATGCCTCTGCTCTCACTG	CCCGATGAGAATGGCAGAAAGC

	<i>CDC25A</i>	TCTGGACAGCTCCTCTCGTCAT	ACTTCCAGGTGGAGACTCCTCT
	<i>Cyclin D1</i>	TCTACACCGACAACCTCCATCCG	TCTGGCATTCTGGAGAGGAAGTG
	<i>CDK4</i>	CCATCAGCACAGTTCGTGAGGT	TCAGTTCGGGATGTGGCACAGA
	<i>CDC14A</i>	TAGATGGCAGCACACCCAGTGA	GTCCCTGTTCTTCCAAGACCAG
	<i>CDK6</i>	GGATAAAGTTCCAGAGCCTGGAG	GCGATGCACTACTCGGTGTGAA
	<i>Cyclin E1</i>	TGTGTCCTGGATGTTGACTGCC	CTCTATGTCGCACCACTGATACC
Inflammation	<i>TNFα</i>	CTCTTCTGCCTGCTGCACTTTG	ATGGGCTACAGGCTTGCTACTC
	<i>IL-1β</i>	CCACAGACCTTCCAGGAGAATG	GTGCAGTTCAGTGATCGTACAGG
	<i>COX2</i>	CGGTGAAACTCTGGCTAGACAG	GCAAACCGTAGATGCTCAGGGA