

A) TCSat37

TCSat37 subfamilies'
identity (%) matrix

	TCSat37-330	TCSat37-270	TCSat37-211
TCSat37-330		64.207%	65.254%
TCSat37-270	64.207%		70.632%
TCSat37-211	65.254%	70.632%	

	10	20	30	40	50	60	70	80	90	100	
TCsat37-330	AAAATTGGGGCGCGAAT---TAAACTTTAATTTCGAAACGAAACAAATTAACC-----TCGAACTTGAATGCA-----	65								
TCsat37-270	--.T.C.AA.....G.CCGT.T..T.....A..TA..CAA.TT.....G..ATCGAACT.TA.TT.C...ATG.GACAAATTTACCTTGAACCTGAATG	98									
TCsat37-211	--.T.C.AA.....CCGT.T..G.....A..TA..CAA.TTT....G..AA-----TA.C.....ATA.-----	67									
	110	120	130	140	150	160	170	180	190	200	
TCsat37-330	--TTCAATTTAGCGGCCGGTTTATTATTTATTTAAATTTTAATTTACAAATTTAAATCAAATTTATGCACGTACTCGAAATAATTTGATTGCAATTAAGA	163									
TCsat37-270	CACG..C...CA.....A.....TG.....G.....T..A....T.....T..G	198									
TCsat37-211	--.G..C...CA.....A.....-..TG.....T..A.....A.....CCG.G	164									
	210	220	230	240	250	260	270	280	290	300	
TCsat37-330	GCCGGTTTACAGCAAACGA--ATTAAATTTAATTCGGA-TTAAAGAGTAATTTGTGCGTGTGCGTCTGTTTGTAAATTAATTATTAAATAAATTATTAA	260									
TCsat37-270T.....TT..A..T.....A.....A..G.....TTTC..TT-..AA..CAC-----	270									
TCsat37-211G..CTGG,-----TTTC..TT-..AA..CA-----	211									
	310	320	330	340	350	360	370				
TCsat37-330	ACTGCGACCGCAACCGCGACCGGACGACGAATTAATTTAAGTAATTTCTGTGCCGTGCCGTACACTTTTATTA	332									
TCsat37-270	-----	270									
TCsat37-211	-----	211									

B) TCSat38

TCSat38 dimeric HOR



	10	20	30	40	50	60	70	80	90	100	
TCsat38subunitA	ATACCAAATCAAG-ATTTTTTGGCAAAGTTCCAATCAATACTTTTGAAACGAAATTTGCAAACATAAGACATTAAACAAAGCTATAATGGTACAAAAG	99									
TCsat38subunitB	-.....-..T.A.....C.....C..T..T.....AC.....G...T.G..G.....G.G...T.....C.....T	98									
	110	120	130	140	150	160	170	180			
TCsat38subunitA	CTCGTTTTRAAAGACAGTTCTGTTCAGCAGATATAATTTTTTGAATTTAA-TTGAGGCAAACCTAGGTTTTTGCTATCTGA	179									
TCsat38subunitB	..TA.....T.....CGA...G.A....CG.A.....G.....T...A.C.A.....T.....	179									

C) TCSat18

TCSat18 monomer variants'
identity (%) matrix

	TCSat18-73	TCSat18-63	TCSat18-82
TCSat18-73		82.192%	75.610%
TCSat18-63	82.192%		64.634%
TCSat18-82	75.610%	64.634%	

	10	20	30	40	50	60	70	80	
TCsat18-73	TTGGCAACGT	GTTTAAACACGTGTCCGCGCCATTTTTAA	ATTTAATTACCGATTTCGTGCGATTTTTTAGG	-----	73				
TCsat18-63G.....	T.....T.....	-----	63					
TCsat18-82C.....	G.....G.C..	GTTTAAACACGTGTCCGCGCCATTTTTAA	82					

D) TCsat15-1277 variant

