

Table S1. Fold-change values of fibrosis-associated factors after single or double infection with HCMV and HHV-6A.

Factor	Fold-change expression of analyzed factors (*)																	
	0 d.p.i.			1 d.p.i.			2 d.p.i.			4 d.p.i.			7 d.p.i.				10 d.p.i.	
	HCMV	HHV-6A	HCMV/ HHV-6A	HCMV	HHV-6A	HCMV/ HHV-6A	HCMV	HHV-6A	HCMV/ HHV-6A	HCMV	HHV-6A	HCMV/ HHV-6A	HCMV	HHV-6A	HCMV/ HHV-6A	HCMV	HHV-6A	HCMV/ HHV-6A
ACTA2	1.55	-1.12	-1.02	-1.07	-1.05	1.11	-1.24	-1.12	-1.35	1.64	-2.07	-1.5	2.48	-1.64	-5.11	2.19	1.02	-8.6
AGT	1.25	-2.94	-1.53	1.02	1.37	4.15	1.09	-1.04	1.29	-2.14	2.33	2.16	-2.1	-1.74	1.65	2.15	1.15	2.41
AKT1	-1.19	-1.12	1	1.21	1.18	1.47	1.18	-1.01	1.11	-1.8	1.17	1.11	1.09	-1.34	1.21	2.22	-1.14	1.12
BCL2	1.42	-1.08	-1.2	1.11	1.25	1.89	-1.31	-1.36	-1.37	-2.34	1.2	1.15	1.26	1.11	-12.28	-1.23	1.01	-1.36
BMP7	2.44	2.3	-11.94	2.12	2.25	3.61	2.36	2.94	3.85	3.65	4.19	53.91	5.07	9.38	308.39	134.1	13.68	823.2
CAV1	-1.08	1.06	-1.01	-1.19	-1.01	-1.53	-1.12	1.05	-1.1	1.24	-1.58	-1.68	-1.05	1.37	-4.64	-3.05	-1.36	-7.12
CCL11	2.9	-1	-1.14	1.81	-1.23	3.9	1.82	2.11	2.36	3.1	-2.6	1.2	1.66	-2.13	-1.63	2.92	-1.2	-4.12
CCL2	2.08	1.27	1.55	2.13	-1.5	9.94	1.3	-1.22	1.2	3.13	1.09	14.08	3.1	1.86	8.02	2.29	2.42	-5.47
CCL3	1.18	-1.08	-2.56	2.46	1.04	1.32	3.42	-1.13	1.97	3.96	-3.7	1.19	-1.05	-8.28	104.94	4.74	-6.96	36.71
CCR2	1.06	1.71	-3.78	2.09	2.02	1.79	2.96	2.64	3.46	2.4	1.26	1.05	-1.09	-2.25	-6.27	1.67	1.31	-4.08
CEBPB	1.09	1.22	1.4	-1.27	1.1	1.86	-1.15	1.54	1.02	-1.25	1.07	1.04	2.85	-1.72	-1.03	2.56	-1.18	1.1
COL1A2	1.47	-1.38	1.26	-1.63	1.48	1.02	-1.96	1.16	-1.63	1.2	-1.21	-1.38	1.21	-1.26	-16.67	-3.45	1.01	-47.25
COL3A1	-1.28	-1.24	-1.06	-1.86	1.12	-1.26	-1.51	1.08	-1.47	1.99	1.12	-1.64	2.22	1.5	-29.4	-3.7	1.53	-113.98
CCN2	-1.11	-1.2	1.22	1.22	1.03	1.05	1.19	-1.3	-1.22	-2.42	-1	-1.05	2.36	1.07	1.12	2.34	1.62	-1.07
CXCR4	-1.59	11.12	19.13	11.4	1.04	23.85	6.58	1.6	10.1	15.82	21.04	127.75	18.89	11.29	482.93	123.08	6.19	1217
DCN	-1.12	-1.2	1.02	-1.64	1.33	1.62	-1.75	1.13	-1.91	-2.51	2.01	-1.85	-2.18	2.04	-4.3	-10.9	2.77	-78.5
EDN1	1.37	1.29	1.53	-1.08	-1.02	1.25	-1.14	-1.06	-1.35	-2.33	-2.04	-2.21	-1.34	-1.78	-2.58	-1.91	-1.41	-1.31
EGF	1.02	-2.09	-7.59	1.63	1.36	3.04	-1.04	-1.89	1.07	2.12	-1.71	1.73	1.06	1.06	-1.81	1.4	1.15	-2.02
ENG	1.18	-1.27	1.07	-1.01	1.2	1.47	-1.09	1.09	-1.06	2.12	1.02	1.39	2.31	-1.17	1.55	2.2	-1.17	-1.04
FASLG	1.15	1.14	-9.49	2.46	2.05	3.2	-1.4	-1.18	-1.2	2.48	1.18	2.27	1.58	1.38	-2.04	2.77	1.65	-11.61
GREM1	-1.07	-1.07	1.06	-1.03	1.32	2.2	-1.22	1.05	-1.22	2.24	1.03	1.13	2.89	-1.18	1.18	-1.2	-1.24	-3.6
HGF	-1.11	-1.08	-1.09	-1.41	1.4	1.15	-1.53	-1.09	-1.56	3.59	1.57	-3.66	4.34	2.92	-16.54	-1.6	2.99	-610.49
IFNG	-4.99	-1.95	-7.96	2.8	2.95	1.74	-1.62	-1.95	1.19	2.27	1.18	1.58	1.32	1.38	1.05	2.38	1.65	-3.32
IL10	-1	1.14	1.04	1.35	-2.33	1.59	-1.44	-1.81	-1.41	-1.15	1.18	-1.28	2.55	2.62	-1.49	13.64	1.65	-1.07
IL13	1.33	-1.39	-9.55	1.01	1.16	1.51	-1.35	-1.43	1.06	2.39	-1.92	1.01	2.22	-2.33	-2.35	9.61	1.09	-1.4
IL13RA2	-1.14	-1.1	-1.13	-1.19	1.02	-1.42	-1.49	-1.05	-1.43	-3.42	-1.03	-1.31	-5.57	1.89	-6.16	-8.44	1.6	-31.48
IL1A	1.96	1.35	-1.51	1.3	1.4	-1.46	1.32	-1.63	-2.1	1.51	-3.12	3.63	1.5	-1.31	1.38	2.86	-1.22	1.25
IL1B	3.36	-1.07	-5.12	2.69	2.93	2.96	3.68	-1.69	1.4	4.08	4.56	1.23	4.04	3.88	7.73	2.37	3.05	2.19

IL4	2.02	-1.68	-3.26	-1.94	2.94	-2.1	1.41	-1.15	-1.93	1.81	1.18	1.97	6.58	8.34	-7.79	3.14	7.36	-2.41
IL5	1.66	1.19	-9.63	2.74	1.22	2.85	3.54	-2.59	3	2.49	-1.89	-2.88	2.07	1.65	-3.75	-1.43	1.41	3.53
ILK	-1.05	1.08	1.02	-1.04	-1.04	-1.15	-1.03	-1.02	1.03	1.03	-1.03	-1.01	1.39	-1.03	1.29	1.95	-1.33	1.62
INHBE	1.02	-2.4	-6.58	-1.42	1.2	18.62	-1.28	-1.28	-1.28	6.93	1.18	26.26	1.12	-2.23	373.75	2.87	-1.92	35.52
ITGA1	-1.18	1.25	1.1	1.36	1.15	2.05	1.25	1.03	1.41	2.03	1.05	1.32	2.85	2.56	1.34	2.11	2.39	1.17
ITGA2	-1.23	-1.16	1.02	2	1.08	3.25	1.65	1.07	1.61	1.72	1.5	1.12	2.51	2.09	2.13	1.52	1.36	1.46
ITGA3	1.09	1.04	1.14	2.03	1.26	2.54	1.51	-1.06	1.82	2.09	-2.21	2.83	1.09	-2.97	6.55	3.74	-3.36	8.53
ITGAV	-1.08	1.01	1.06	-1.2	1.13	1.41	-1.33	1.19	-1.45	-2.04	1.42	-1.32	1.15	1.82	-2.9	-2.32	1.82	-4.44
ITGB1	-1.14	-1.02	1.13	-1.09	1.11	1.37	-1.39	1.02	-1.1	-1.05	1.06	-1.42	1.26	2.08	-2.49	-2.7	1.21	-3.35
ITGB3	-1.14	-1.12	-1.04	-1.15	1.19	1.12	-1.16	-1.02	1.06	2.7	-1.61	1.04	2.09	-1.11	-1.82	1.35	-1.26	-2.39
ITGB5	-1.22	-1.05	1.1	-1.15	1.11	1.2	-1.28	1.13	-1.16	-2.1	1.49	-1.05	2.6	-1.54	-1.85	2.64	-1.38	-2.16
ITGB6	1.11	-1.16	-5.34	1.28	1.26	1.51	-1.88	-1.56	-1.46	2	2.52	1.07	1.37	1.38	-1.4	-1.62	1.67	1.39
ITGB8	-1.13	-1.19	-1.21	1.13	1.07	2.26	1.05	-1.11	1.13	-2.63	2.08	1.31	-1.35	2.94	1.51	-2.68	2.29	-1.83
JUN	-1.05	1.17	1.26	1.08	1.27	1.12	-1.22	1.01	-1.26	1.27	1.6	-1.41	2.25	-1.29	-2	-1.5	-1.59	-2.11
LOX	-1.22	-1.09	1.03	-1.24	-1.02	1.1	-1.07	1.06	-1.02	-2.28	-1.23	-1.36	-1.2	1.48	-3.8	-5.3	1.26	-28.44
LTBP1	-1.15	-1.08	-1.11	-1.14	1.03	-1.08	-1.42	1.06	-1.33	3.16	-1.21	-1.33	2.55	2.12	-2.2	1.44	1.38	-5.41
MMP1	-1.24	1.05	1.01	1.33	1.25	1.69	-1.14	-1.04	1.12	3.51	1.09	2.08	1.39	2.51	5.65	-2.11	-1.09	-1.46
MMP13	-1.05	-1.89	1.54	3.6	1.04	4.16	1.11	-1.13	7.51	2.51	1.18	-1.28	2.44	1.38	4.02	2.13	1.65	1.34
MMP14	-1.44	-1.33	1	1.04	1.36	1.82	-1.39	1.31	1.03	-1.85	2.03	1.17	2.93	-1.19	-1.56	-1.34	1.29	-6.43
MMP2	-1.11	-1.39	1.35	1.04	1.71	2.71	-1.52	1.05	-1.18	-1.38	1.52	1.36	1.8	1.01	-1.07	-1.77	1.3	-11.31
MMP3	-1.29	1.02	1.16	1.07	-1.04	1.2	-1.01	-1.18	1.06	2.7	-1.44	1.18	2.39	1.75	1.03	-2.3	-2.74	-3.53
MMP8	-1.09	-1.32	-5.59	1.54	1.31	2.15	-1.4	-1.49	-1.19	2.81	2.35	1.44	1.12	2.12	-2.21	2.37	2.79	-1.97
MMP9	3.39	1.18	-4.52	4.15	-1.01	1.79	2.07	1.28	-3.57	2.1	1.18	-1.98	-1.07	1.38	3.07	3.43	1.65	5.04
MYC	-1.03	1.18	1.4	1.08	1	1.19	-1.28	1.01	-1.26	1.25	1.12	-1.54	1.06	1.12	-2.13	-1.89	1.24	-1.37
NFKB1	1.26	1.24	1.16	1.25	1.16	1.71	1.01	1.13	1.09	-1.31	1.86	1.06	1.1	1.55	-1.11	1.27	1.74	-2.14
PDGFA	1.07	1.28	1.28	1.31	1.26	2.01	1.08	-1.11	1.08	2.65	1.35	1.52	3.44	1.33	3.73	4.18	1.44	5.68
PDGFB	2.33	1.06	1.04	1.07	1.04	1.32	1.35	-1.13	1.13	5.3	1.18	6.26	6.12	1.38	22.93	29.46	1.65	93.8
PLAT	-1.02	1.14	-1.03	1.44	1.08	1.02	-1.02	1.1	1.36	2.33	1.11	1.75	2.97	-1.71	1.27	2.14	-1.59	1.51
PLAU	1.95	1.12	1.14	1.04	1.01	1.41	-1.17	-1.15	-1.32	1.32	1.39	-1.05	2.14	1.73	-1.37	-1.02	1.66	-4.35
PLG	1.31	-1.13	-1.15	2.27	1.04	3.84	-1.62	-2.03	-1.58	2.39	1.18	-1.28	2.89	2.99	1.28	1.71	1.65	8.5
SERPINA1	3.99	1.06	4.86	-2.63	-2.85	-1.61	2.67	-1.22	2.15	4.53	1.58	19.77	3.64	-3.71	13.27	13.67	-7.33	51.25
SERPINE1	1.04	1.09	1.2	1.33	-1.19	-1.18	1.01	1.03	-1.01	-1.61	-2.4	1.43	2.61	-1.73	1.92	2.29	-2.14	1.02
SERPINH1	-1.01	-1.09	1.07	-1.35	1.07	1.23	-1.45	-1.1	-1.34	1.32	1.17	1.01	-1.7	1.31	-3.75	-2.38	1.33	-2.62

<i>SMAD2</i>	-1.39	1.14	1.01	-1.01	1.07	1.29	1.03	-1.16	-1.15	-1.43	-1.1	-1.18	-1.34	1.34	-1.12	1.2	1.21	-1.07
<i>SMAD3</i>	1.08	-1.08	-1.17	-1.01	1.21	1.06	-1.35	1.01	-1.14	-1.14	-1.77	-1.01	1.8	-2.27	-1.75	2.59	-2.23	-2.21
<i>SMAD4</i>	-1.07	-1.3	-1.09	1.11	1.16	1.56	1.1	1.15	1.07	-1.64	1.03	-1.08	1.07	1.09	-1.32	-1.4	-1.02	-1.67
<i>SMAD6</i>	1.11	-1.18	-1.24	-1.38	-1.1	-1.88	-1.04	1.31	1.14	1.17	1.58	-1.69	1.3	1.56	-2.24	-1.18	1.6	-3.23
<i>SMAD7</i>	1.28	1.4	1.44	-1.13	1.21	1.13	-1.15	-1.01	-1.29	-2.21	1.18	1.2	2.79	-2.08	1.32	2.07	-1.62	1.56
<i>SNAI1</i>	-1	1.57	1.87	-1.07	-1.03	1.46	-1.08	-1.12	-1.2	-1.69	1.08	2.4	-1.62	1.15	4.65	2.15	-1.04	4.35
<i>SP1</i>	-1.04	-1.06	-1.09	1.72	1.69	2.48	1.23	1.14	1.09	-1.13	1.62	1.05	1.84	1.28	-1.03	1.09	1.78	-1.15
<i>STAT1</i>	-1.16	-1.01	1.02	3.04	1.52	7.78	2.96	-1.09	3.59	3.05	1.46	4.36	1.62	1.92	1.71	-1.55	2.26	-2.03
<i>STAT6</i>	1.21	-1.37	1.02	1.16	1.07	1.72	-1.18	1.01	1.07	1.06	1.21	1.48	1.7	-1.22	-1.52	-1.1	-1.65	-3.62
<i>TGFB1</i>	1.06	-1.09	1.15	-1	1.28	1.41	-1.06	-1.12	1.02	-1.48	-1.08	1.46	1.13	-2.05	2.22	2.46	-1.67	2.64
<i>TGFB2</i>	1.06	-1.22	-1.07	-1.97	1.26	-1.27	-2.04	1.05	-1.97	2.92	1.43	-2.15	3.99	3.15	-3.43	-1.18	2.36	-1.45
<i>TGFB3</i>	1.16	1.27	-1.07	1.89	-1.25	2.54	1.32	-1.32	1.45	2.04	-1.15	1.51	1.9	-1.04	1.03	1.29	1.14	-1.49
<i>TGFBR1</i>	1.03	-1.11	-1.13	1.07	-1.01	1.07	1.27	-1.14	1.09	-2.04	1.74	1.04	1.46	2.23	-1.26	-1.31	2.71	-1.2
<i>TGFBR2</i>	-1.54	1.14	1.08	-1.01	1.24	1.38	1.03	1.03	-1	1.79	1.59	-1.04	2.84	1.58	-1.61	1.05	1.74	-4.64
<i>TGIF1</i>	1.48	-1.13	-1.11	-1.16	1.08	1.4	-1.3	-1.05	-1.24	1.92	1.45	-1.08	1.61	1.34	-1.08	-1.27	1.63	-1.06
<i>THBS1</i>	1.45	1	1.08	-1.12	1.02	1.24	-1.3	-1.05	-1.54	1.39	-1.52	-1.53	2.41	-1.71	-1.64	2.09	-1.96	-4.89
<i>THBS2</i>	1.05	1.01	1.1	-1.5	1.51	1.49	-1.97	1.02	-1.9	-2.94	1.81	-1.77	1.42	1.2	-11.43	-3.87	1.37	-47.91
<i>TIMP1</i>	1.44	-1.26	1.13	-1.38	1.11	1.07	-1.35	1.11	-1.34	2.03	-1.47	-1.1	2.3	1.56	1.06	-1.14	1.11	-1.49
<i>TIMP2</i>	1.52	-1.31	1.11	1.06	1.4	1.51	-1.18	1.2	-1.04	-2.86	1.59	1.14	2.35	-1.08	-1.86	-1.04	1.01	-5.41
<i>TIMP3</i>	1.08	-1.17	1.05	-1.39	1.05	-1.24	-1.61	-1.07	-1.97	-2.67	1.01	-1.91	-2.19	1.41	-6.69	-3.86	2.67	-16.67
<i>TIMP4</i>	-1.24	1.06	1.22	-1.07	-1.48	1.19	1.27	-1.12	1.59	2.98	-1.75	1.58	1.78	-1.94	2.1	1.32	-2.73	4.23
<i>TNF</i>	3.37	-2.99	1.2	1.07	9.1	23.21	-1.11	-2.46	1.39	3.6	1.18	-1.28	10.56	5.19	26.54	34.21	27.92	2.96
<i>VEGFA</i>	1.48	1.26	1.68	1.03	1.02	2.07	1.54	-1.22	1.1	2.74	1.03	-1.05	1.04	1.13	1.71	1.04	1.59	2.62

(*) Results are expressed as mean values of fold-change observed in single- or double-infected cells, compared to uninfected control cells. All values exceeding +2 or -2 folds are indicated in bold. Orange boxes indicate >3 up-regulated factors. Blue boxes indicate <-3 down-regulated factors.