

**Table S3.** Mean gene expression and standard deviation for respective gene in all cell lines and SOM groups.

Assay	MLS 2645-94		MLS 1765-92		MLS 402-91		SK-N-MC		TC-71		SOM 1		SOM 2		SOM 3		SOM 4		SOM 5	
	(n = 76)		(n = 59)		(n = 84)		(n = 60)		(n = 74)		(n = 76)		(n = 87)		(n = 73)		(n = 64)		(n = 53)	
	Mean	SD	Mean	SD	Mean	SD	Mean	SD	Mean	SD	Mean	SD	Mean	SD	Mean	SD	Mean	SD	Mean	SD
<i>APAF1</i>	1.42	2.59	0.87	2.10	1.83	2.72	0.12	1.70	1.13	1.97	2.89	2.64	1.09	2.25	1.17	1.99	0.53	1.84	-0.55	1.17
<i>ATM</i>	1.61	3.10	2.57	2.29	4.44	4.31	0.08	2.03	1.37	2.39	4.93	3.54	2.87	3.42	1.38	2.52	0.79	2.27	-0.43	1.52
<i>ATR</i>	1.75	2.99	1.10	2.27	1.96	3.17	0.29	2.04	1.30	2.38	3.42	2.95	1.15	2.56	1.57	2.45	0.56	2.10	-0.62	1.19
<i>BBC3</i>	0.12	2.11	-0.50	1.10	0.44	2.34	-0.55	1.27	0.72	2.16	0.84	2.56	-0.16	1.68	0.58	2.15	-0.22	1.63	-0.78	0.81
<i>BCL2L1</i>	5.56	2.44	6.13	1.66	7.03	1.90	1.91	2.50	3.71	2.14	7.41	1.19	6.66	1.10	4.35	2.11	3.48	2.43	1.53	2.62
<i>BID</i>	6.99	1.57	6.25	1.97	7.93	1.37	5.61	1.66	6.05	1.33	8.36	0.81	7.21	0.91	6.51	0.72	5.81	1.49	4.54	2.31
<i>CASP3</i>	4.07	3.07	4.56	2.43	5.06	2.62	1.26	2.61	3.07	2.52	5.93	1.90	4.66	2.54	3.53	2.51	2.76	2.57	0.31	2.24
<i>CCNA2</i>	4.41	2.46	3.16	2.14	3.59	2.74	1.56	2.32	3.68	2.04	5.73	1.61	2.93	2.24	4.11	1.75	2.54	2.12	0.67	2.06
<i>CCNB2</i>	5.58	2.67	4.48	2.51	4.88	3.34	1.08	2.95	3.74	2.27	6.17	2.98	4.43	2.73	4.98	1.93	2.97	2.82	0.61	2.38
<i>CCND1</i>	2.60	3.49	0.60	2.17	5.63	2.48	6.80	2.46	7.61	2.13	5.60	3.00	2.59	3.29	6.18	3.37	6.06	3.10	3.53	4.05
<i>CCNG1</i>	5.04	1.80	3.54	2.32	5.11	2.15	2.59	2.44	4.20	1.88	5.84	1.75	4.61	1.69	4.76	1.17	3.52	2.06	1.33	2.41
<i>CDC25A</i>	2.80	2.58	1.95	2.17	3.86	2.55	0.28	2.03	1.27	2.22	3.87	2.52	3.49	2.20	1.93	2.13	0.76	2.17	-0.46	1.22
<i>CDC25B</i>	5.50	2.36	5.34	2.24	6.37	1.93	3.07	2.93	4.47	2.39	6.92	1.95	5.85	1.33	5.71	1.07	3.65	2.56	1.84	2.82
<i>CDC25C</i>	2.80	3.17	3.00	2.35	2.38	3.57	-0.25	1.69	1.76	2.51	4.16	3.20	2.05	2.76	2.56	2.57	0.75	2.41	-0.49	1.48
<i>CDC45</i>	3.28	3.21	2.47	2.62	4.57	2.80	0.47	2.40	2.95	2.61	5.48	2.09	3.60	2.63	3.58	2.43	0.51	2.24	0.03	2.05
<i>CDK1</i>	4.56	2.78	2.68	2.28	5.29	2.78	1.12	2.56	2.93	2.72	6.74	1.79	3.79	2.03	3.91	2.47	1.15	2.16	0.60	2.27
<i>CDK4</i>	7.37	1.20	5.23	1.88	7.99	1.12	4.77	2.06	6.07	1.61	8.34	0.88	6.90	1.12	6.74	0.73	5.71	1.06	3.45	2.43
<i>CDK6</i>	2.56	3.00	2.02	2.21	4.30	2.70	-0.54	1.29	-0.65	1.03	4.37	2.59	3.34	2.54	0.04	1.99	-0.14	1.72	-0.45	1.47
<i>CDKN1A</i>	3.64	3.13	2.37	2.87	4.21	3.38	-0.14	1.90	0.70	2.22	4.84	3.02	3.72	2.93	1.30	2.61	0.72	2.38	-0.36	1.85
<i>CDKN1B</i>	2.13	3.00	2.45	2.54	2.79	2.99	0.43	2.28	3.46	2.72	4.18	2.58	1.87	2.72	3.62	2.54	1.32	2.60	-0.10	1.81
<i>CDKN2C</i>	4.53	2.84	3.71	2.03	3.30	3.21	2.69	2.78	4.28	2.00	5.33	2.65	3.27	2.57	4.47	2.27	3.04	2.42	2.03	2.51
<i>CDKN2D</i>	1.91	2.40	1.34	1.82	1.53	2.41	0.12	1.61	1.60	1.91	3.12	2.15	1.00	2.02	1.74	1.85	0.63	1.67	-0.24	1.40
<i>DBF4</i>	3.89	2.17	1.91	2.13	3.26	2.56	1.39	2.35	2.29	2.15	4.70	2.05	2.47	2.16	3.13	1.94	1.97	1.89	0.17	1.94
<i>E2F1</i>	3.91	3.04	3.59	2.19	6.26	2.74	1.47	2.76	2.85	2.42	5.98	2.51	5.56	2.13	2.87	2.70	2.27	2.46	0.77	2.31
<i>E2F4</i>	5.17	2.70	4.99	1.75	5.90	2.12	1.63	2.49	2.84	2.44	6.81	1.23	5.44	1.45	4.17	1.93	2.46	2.53	0.70	2.47
<i>EGFR</i>	-1.00	0.00	0.51	2.01	-1.00	0.00	-1.00	0.00	-1.00	0.00	-0.91	0.56	-0.23	1.65	-1.00	0.00	-0.77	0.92	-1.00	0.00
<i>EWSR1</i>	7.14	1.95	5.37	2.25	7.40	1.88	4.34	2.34	6.22	1.82	8.13	1.12	6.71	1.47	6.84	0.96	5.51	1.37	2.79	2.87
<i>FAS</i>	0.54	2.57	-1.00	0.00	-0.85	0.97	-1.00	0.00	-1.00	0.00	-0.04	2.27	-0.67	1.21	-0.61	1.45	-1.00	0.00	-1.00	0.00
<i>GAPDH</i>	11.83	1.09	10.94	1.14	12.30	1.06	9.83	1.40	10.63	0.96	12.73	0.69	11.76	0.56	11.15	0.56	10.57	0.56	8.93	1.41
<i>H2AC6</i>	5.89	3.03	4.18	3.02	5.66	2.93	4.45	2.44	6.26	2.47	7.01	2.71	5.15	2.81	6.17	2.41	4.60	2.39	3.29	2.84
<i>CHEK1</i>	1.84	3.15	2.48	2.84	3.22	3.30	0.99	2.58	1.95	2.70	3.50	3.16	2.88	3.04	2.18	2.80	1.41	2.61	-0.13	1.97
<i>CHEK2</i>	2.33	2.66	1.02	1.99	0.96	2.55	0.56	1.94	2.81	2.21	2.65	2.76	1.08	2.29	2.90	2.16	0.85	1.96	-0.04	1.58
<i>IL6ST</i>	5.26	1.83	3.57	2.20	4.98	2.27	0.27	2.02	0.06	1.79	5.71	1.91	4.78	1.78	1.60	2.66	1.16	2.39	0.15	2.02
<i>JAK1</i>	4.12	2.24	3.62	1.69	4.66	2.02	4.33	2.09	5.90	1.75	5.73	1.37	4.18	1.52	5.57	1.34	4.62	2.25	2.14	2.30
<i>JAK2</i>	0.22	2.04	-0.11	1.47	-0.07	1.71	-0.12	1.54	-0.33	1.34	0.58	2.15	-0.24	1.47	-0.10	1.64	-0.17	1.45	-0.59	1.03
<i>LIFR</i>	0.47	1.99	0.42	1.91	1.35	2.33	0.17	1.75	1.20	2.03	1.92	2.26	0.60	2.06	1.22	2.01	0.16	1.65	-0.44	1.32
<i>PIDD1</i>	0.34	2.41	-0.34	1.43	0.74	2.74	-0.32	1.59	0.28	1.78	1.50	2.88	0.04	2.06	0.12	1.79	-0.27	1.50	-0.74	1.13
<i>MCM10</i>	3.66	3.04	1.89	2.32	3.73	3.18	-0.34	1.51	1.29	2.36	4.05	3.02	3.89	2.53	2.00	2.41	0.15	2.11	-0.44	1.48
<i>MCM2</i>	5.64	2.84	4.58	2.41	7.02	2.50	4.17	2.66	5.03	2.04	7.43	1.32	6.56	1.79	5.28	1.88	4.61	2.03	1.80	2.99
<i>MCM4</i>	4.71	2.13	4.52	1.69	6.13	2.06	3.47	2.58	3.91	2.10	5.98	1.87	5.90	1.07	4.62	1.65	3.49	2.31	2.03	2.26
<i>MCM5</i>	6.07	2.54	3.92	2.73	6.73	2.48	2.74	2.86	4.20	2.31	6.64	2.58	6.57	1.58	4.87	1.91	3.42	2.70	1.56	2.85
<i>MCM6</i>	3.06	2.57	1.56	1.84	4.04	2.89	1.41	2.44	2.91	2.09	3.87	2.76	3.72	2.37	2.86	2.11	1.99	2.12	0.18	1.81
<i>MCM7</i>	7.75	1.92	6.44	2.00	8.28	1.83	5.04	2.32	6.50	1.80	8.75	0.96	7.85	1.33	7.25	0.70	6.21	1.29	3.28	2.60
<i>MCM8</i>	3.78	2.69	3.48	2.35	4.74	2.45	1.41	2.50	2.55	2.15	5.82	1.43	4.19	1.88	3.19	2.04	1.73	2.28	0.25	2.10
<i>MCM9</i>	0.50	2.60	0.65	2.12	0.91	2.85	-0.43	1.61	-0.22	1.58	1.45	3.02	0.72	2.41	-0.14	1.74	-0.11	1.91	-0.86	0.72
<i>MDM2</i>	2.86	2.71	1.94	2.21	3.41	2.76	1.04	2.28	1.98	2.15	4.41	2.18	2.66	2.33	2.58	2.15	1.13	2.17	0.00	1.81
<i>MDM4</i>	1.12	2.86	0.54	2.20	1.48	3.04	1.04	2.44	1.20	2.31	2.75	3.10	0.42	2.29	1.29	2.44	0.74	2.23	0.12	2.02

	MLS 2645-94	MLS 1765-92	MLS 402-91	SK-N-MC	TC-71	SOM 1	SOM 2	SOM 3	SOM 4	SOM 5
Assay	(n = 76)	(n = 59)	(n = 84)	(n = 60)	(n = 74)	(n = 76)	(n = 87)	(n = 73)	(n = 64)	(n = 53)
	Mean SD	Mean SD	Mean SD	Mean SD	Mean SD	Mean SD	Mean SD	Mean SD	Mean SD	Mean SD
<i>MKI67</i>	6.59 3.53	5.08 3.33	5.58 4.25	0.72 3.02	4.53 3.45	8.24 2.17	4.72 3.80	5.83 2.84	2.59 3.64	0.39 2.93
<i>MYC</i>	4.65 2.55	1.68 2.29	4.13 2.53	3.57 2.17	5.24 2.06	4.87 2.12	3.44 2.68	5.29 1.89	4.01 2.14	1.68 2.74
<i>ORC2</i>	3.39 2.55	1.98 2.10	2.93 2.83	1.16 2.13	2.52 2.02	4.20 2.30	2.50 2.37	3.22 1.80	1.52 2.07	0.14 1.83
<i>ORC5</i>	2.28 2.54	0.73 1.73	2.08 2.42	0.51 1.78	0.64 1.67	3.10 2.23	1.66 2.18	1.24 1.79	-0.03 1.50	-0.01 1.54
<i>PCNA</i>	7.57 1.81	6.53 1.71	7.96 1.46	3.77 3.02	5.55 2.07	8.11 1.34	7.94 0.95	6.33 1.58	5.39 1.86	2.88 2.98
<i>PERP</i>	2.22 3.24	2.71 2.77	1.02 2.98	1.02 2.49	3.85 2.20	2.50 3.32	1.93 2.98	3.33 2.55	2.32 2.77	0.22 2.20
<i>PIAS2</i>	1.20 2.76	1.19 2.43	1.23 2.94	0.62 2.23	1.60 2.38	1.89 3.05	1.16 2.59	1.85 2.47	0.67 2.25	-0.05 1.81
<i>PIGS</i>	3.41 2.94	2.79 2.57	4.10 3.03	0.15 2.12	1.02 2.23	5.13 2.15	3.30 2.71	2.13 2.55	0.89 2.39	-0.69 1.30
<i>PLK1</i>	2.99 3.64	2.71 2.74	2.72 3.62	0.75 2.47	2.63 2.76	5.01 3.25	1.26 2.82	3.27 2.87	1.94 2.51	0.05 1.89
<i>PPM1D</i>	1.59 2.65	2.40 2.20	1.93 2.70	-0.16 1.57	1.38 2.18	2.90 2.53	2.03 2.46	1.55 2.19	0.44 1.90	-0.42 1.50
<i>RB1</i>	5.24 2.19	4.46 2.03	6.13 2.22	2.10 2.41	3.49 2.43	6.86 1.03	5.58 1.42	4.34 1.92	2.82 2.40	1.06 2.18
<i>RBL1</i>	0.53 2.20	0.04 1.64	1.88 2.47	-1.00 0.00	-0.52 1.12	2.16 2.33	0.61 2.19	-0.35 1.43	-0.73 0.96	-0.82 0.76
<i>RCHY1</i>	2.57 2.66	1.42 2.20	1.46 2.76	1.86 2.24	3.77 2.01	2.37 2.87	1.77 2.61	3.54 2.02	2.59 2.14	0.65 2.14
<i>RPS10</i>	8.18 1.50	7.28 1.16	8.40 1.43	6.62 1.41	7.06 1.01	9.00 0.72	7.91 1.17	7.54 0.67	6.91 0.96	5.88 1.87
<i>RRM2B</i>	1.69 2.76	1.93 2.21	2.28 2.90	0.23 1.98	2.00 2.34	3.25 2.60	1.95 2.47	1.84 2.37	1.32 2.38	-0.74 0.93
<i>SESN1</i>	0.01 2.01	0.07 1.77	0.23 2.17	-0.16 1.63	0.78 2.29	0.32 2.29	0.39 2.12	0.77 2.21	-0.16 1.66	-0.62 1.22
<i>SHISA5</i>	1.81 3.24	3.67 2.28	3.43 3.34	-0.51 1.40	0.88 2.35	3.83 3.25	3.04 2.89	1.37 2.68	0.62 2.43	-0.36 1.69
<i>SKP2</i>	5.54 2.63	5.25 1.90	6.75 2.21	3.08 2.40	4.10 2.33	7.13 1.99	6.14 1.45	4.99 1.97	3.95 2.01	1.76 2.54
<i>SOCS4</i>	-0.78 0.97	-0.96 0.34	-0.50 1.23	-0.92 0.45	-0.97 0.25	-0.31 1.46	-1.00 0.00	-0.91 0.52	-0.96 0.30	-0.87 0.68
<i>STAT1</i>	5.14 2.30	4.73 2.05	6.26 2.02	1.42 2.39	4.69 1.88	6.80 1.63	5.61 1.28	5.00 1.48	3.66 2.00	0.44 2.19
<i>STAT2</i>	2.14 3.07	1.53 2.47	4.67 2.85	-0.06 1.86	2.06 2.45	5.07 2.47	2.84 2.82	2.07 2.55	0.67 2.15	-0.60 1.32
<i>STAT3</i>	4.17 2.76	5.16 1.85	5.24 2.22	1.93 2.38	2.29 2.38	5.97 1.62	5.13 1.86	3.18 2.38	2.50 2.35	1.03 2.37
<i>TAF15</i>	0.58 1.99	0.04 1.51	1.49 2.28	-0.08 1.58	0.01 1.53	1.87 2.14	0.57 1.88	0.37 1.80	-0.33 1.31	-0.57 1.18
<i>TFDP1</i>	-0.91 0.42	2.95 3.41	-0.92 0.47	0.67 2.15	-0.96 0.24	-0.58 1.40	0.92 3.25	-0.77 0.94	0.19 2.16	0.10 1.78
<i>TFDP2</i>	1.38 2.73	-0.05 1.66	2.08 3.02	0.75 2.22	0.58 2.05	2.98 2.80	0.90 2.46	0.77 2.23	0.17 1.88	-0.14 1.75
<i>TP53BP2</i>	3.59 3.49	1.51 2.40	3.86 3.50	1.26 2.56	1.39 2.34	5.20 2.81	2.76 3.08	2.09 2.76	0.97 2.33	0.29 2.25
<i>VIM</i>	10.98 1.19	8.05 1.36	10.10 1.71	3.66 2.74	8.28 1.48	11.00 1.19	9.62 1.22	8.94 1.60	7.21 2.41	3.86 3.19
<i>YWHAZ</i>	-0.09 1.85	0.33 1.62	0.74 2.05	0.67 1.70	0.50 1.67	1.06 2.23	0.29 1.76	0.57 1.72	0.37 1.62	-0.35 1.27
<i>ZMAT3</i>	-0.18 2.03	0.42 2.13	0.50 2.63	0.55 2.42	0.78 2.30	1.01 2.87	0.14 2.12	0.63 2.26	0.34 2.20	-0.24 1.85
Mean	3.41 2.46	2.78 2.08	3.86 2.47	1.49 2.06	2.70 1.99	4.64 2.19	3.34 2.11	3.09 1.96	2.05 2.02	0.70 1.89

All data are in log2-scale.